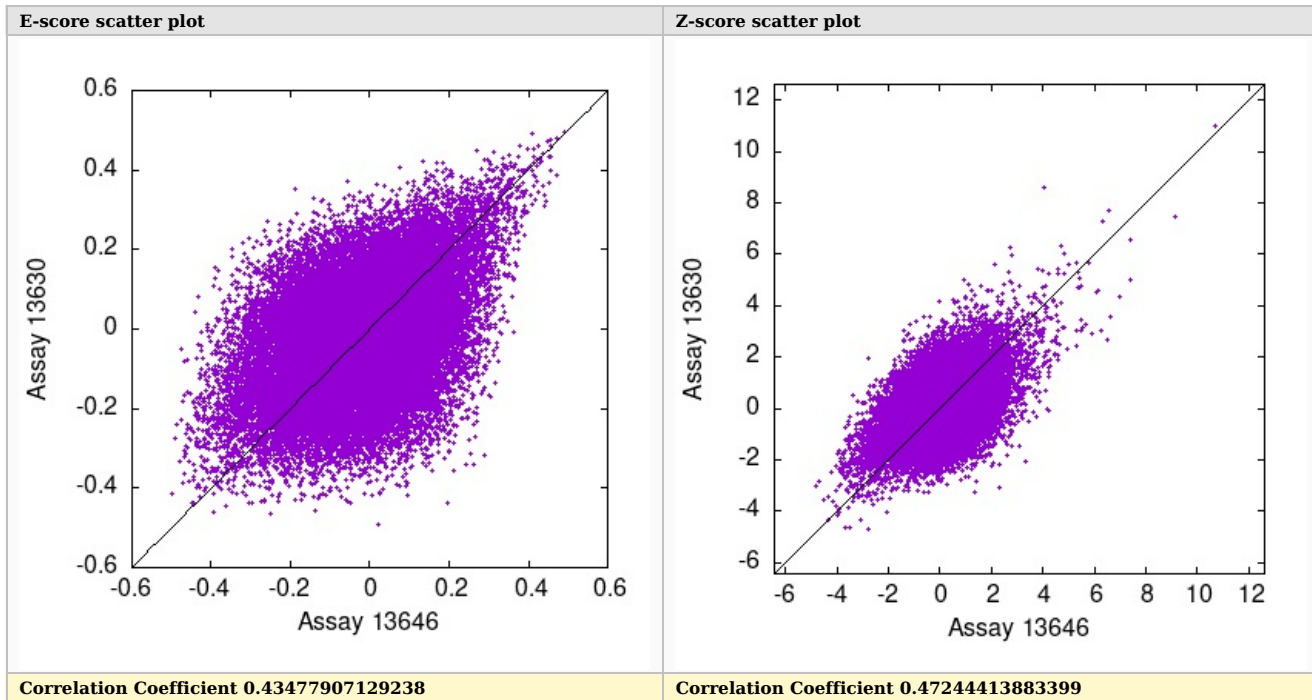


## QC report



### Top scoring motifs for Assay 13646

Protein ID: pTH14233.2 Gene: GRHL3.DBD Domain: CP2 Flag: Pass\_matched\_pair Array: 1M-HK

8 mer E-scores for probeset 'all'			8 mer Z-scores for probeset 'all'		
Forward:		Reverse:	Forward:		Reverse:
Top 10	Scores	Alignment	Top 10	Scores	Alignment
AACCGGTT	0.49017	--AACCGGTT----	AACCGGTT	10.67278	-AACCGGTT-
AAACCGGT	0.47297	--AAACCGGT----	AAACCGGT	9.14692	AAACCGGT--
GTTGCAAC	0.47060	-----GTTGCAAC	ACCGGTTA	7.40347	--ACCGGTTA
AACCAAGT	0.45511	--AACCAAGT----	AACCGGTA	7.37637	-AACCGGTA-
ACCGGTTG	0.45501	---ACCGGTTG---	ACCGGTTG	6.96859	--ACCGGTTG
ACCGGTTA	0.45483	---ACCGGTTA---	AACTAGTT	6.62897	-AACTAGTT-
AAAACCGG	0.45454	AAAACCGG-----	AACCAAGT	6.52992	-AACCAAGT-
AACTAGTT	0.45113	--AACTAGTT----	AACTTGT	6.49956	AACTTGT--
AACCGGTA	0.45101	--AACCGGTA----	AACCGGTC	6.34843	-AACCGGTC-
AACCGGTC	0.44963	--AACCGGTC----	AAACAAC	6.25752	-AAACAAC-

### Top scoring motifs for Assay 13630

Protein ID: pTH14233.1 Gene: GRHL3.DBD Domain: CP2 Flag: Pass\_matched\_pair Array: 1M-ME

8 mer E-scores for probeset 'all'			8 mer Z-scores for probeset 'all'		
Forward:		Reverse:	Forward:		Reverse:
Top 10	Scores	Alignment	Top 10	Scores	Alignment
AACCGGTT	0.49681	-AACCGGTT-	AACCGGTT	11.01874	-AACCGGTT-
ACCGGTTT	0.48984	--ACCGGTTT-	ACCGGTTT	8.61804	--ACCGGTTT-
AAACCGGT	0.47982	AAACCGGT--	AACCAAGT	7.67055	-AACCAAGT-
AACCAAGT	0.47685	-AACCAAGT-	AAACCGGT	7.48107	AAACCGGT--
AACCGGTC	0.47221	-AACCGGTC-	AACCGGTC	7.28075	-AACCGGTC-
AACTTGC	0.46067	AACTTGC--	ACCGGTTA	6.53757	--ACCGGTTA
ACCGGTTA	0.45931	--ACCGGTTA	AACCGGAT	6.30572	-AACCGGAT-
AAACCAAGT	0.45907	AAACCAAGT--	AACAGGTC	6.24569	-AACAGGTC-
AACCGGAT	0.45440	-AACCGGAT-	AAACCTGC	6.04000	AAACCTGC--
AACTTGCC	0.45357	-AACTTGCC-	AAGTTGCC	5.96651	-AAGTTGCC-