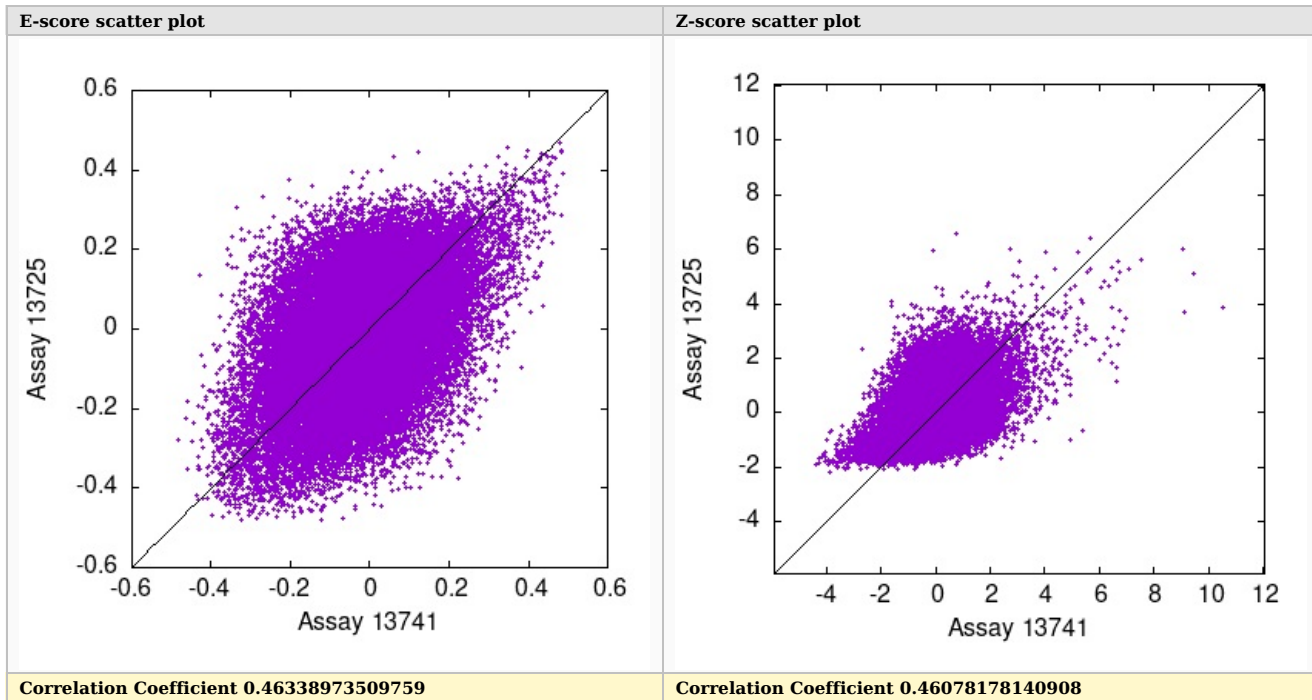


QC report



Top scoring motifs for Assay 13741

Protein ID: pTH14308.2 Gene: NACC2.DBD Domain: Unknown Flag: Pass_matched_pair Array: 1M-HK

8 mer E-scores for probeset 'all'			8 mer Z-scores for probeset 'all'		
Forward:		Reverse:	Forward:		Reverse:
Top 10	Scores	Alignment	Top 10	Scores	Alignment
ACATGTCA	0.48599	---ACATGTCA	ACATGTCA	10.54826	--ACATGTCA
ACATGTAA	0.48416	---ACATGTAA	CACATGTA	9.43048	-TACATGTG-
CACATGTA	0.48317	--CACATGTA-	ACACATGA	9.11070	--ACACATGA
ACACATGA	0.48246	-ACACATGA--	ACATGTAA	9.07073	--ACATGTAA
ACATATGT	0.48020	-ACATATGT--	ACATATGT	7.53462	--ACATATGT
ACATGTGG	0.47003	--CCATGT--	ACATGTGA	7.05149	--ACATGTGA
CACATGTC	0.46879	--CACATGTC-	ACATGTGG	6.96645	--ACATGTGG
ACACATGT	0.46607	-ACACATGT--	ACATGTGC	6.84787	CGACATGT--
CACACATG	0.46357	CACACATG---	CACATGTC	6.73891	-GACATGTG-
ACATGTGC	0.46214	---ACATGTGC	ACATGTGA	6.73392	--ACATGTGA

Top scoring motifs for Assay 13725

Protein ID: pTH14308.1 Gene: NACC2.DBD Domain: Unknown Flag: Pass_matched_pair Array: 1M-ME

8 mer E-scores for probeset 'all'			8 mer Z-scores for probeset 'all'		
Forward:		Reverse:	Forward:		Reverse:
Top 10	Scores	Alignment	Top 10	Scores	Alignment
ACATATGT	0.46727	---ACATATGT--	TGTGCACA	6.57682	---TGTGCACA
TACATACA	0.45686	---TACATACA--	AACATGTA	6.39325	-AACATGTA--
ACATGTAA	0.44986	----ACATGTAA	ACATGTAA	6.00685	--ACATGTAA--
AACATGTT	0.44899	----AACATGTT--	TACATACA	5.98518	-TACATACA--
CACATGTA	0.44599	----CACATGTA--	TAAATTTA	5.94616	-TAAATTTA--
TGTGCACA	0.44507	TGTGCACA----	AACATGTT	5.91225	-AACATGTT--
AACATGTA	0.44151	----AACATGTA--	TACATGTA	5.89028	-TACATGTA--
TACATGTA	0.43554	----TACATGTA--	ACATATGT	5.58367	--ACATATGT--
ACATGTTC	0.43493	----ACATGTTC--	ACATGTAT	5.57466	--ACATGTAT--
ACATACAA	0.43444	----ACATACAA--	ACATGTTC	5.54517	GAACATGT---