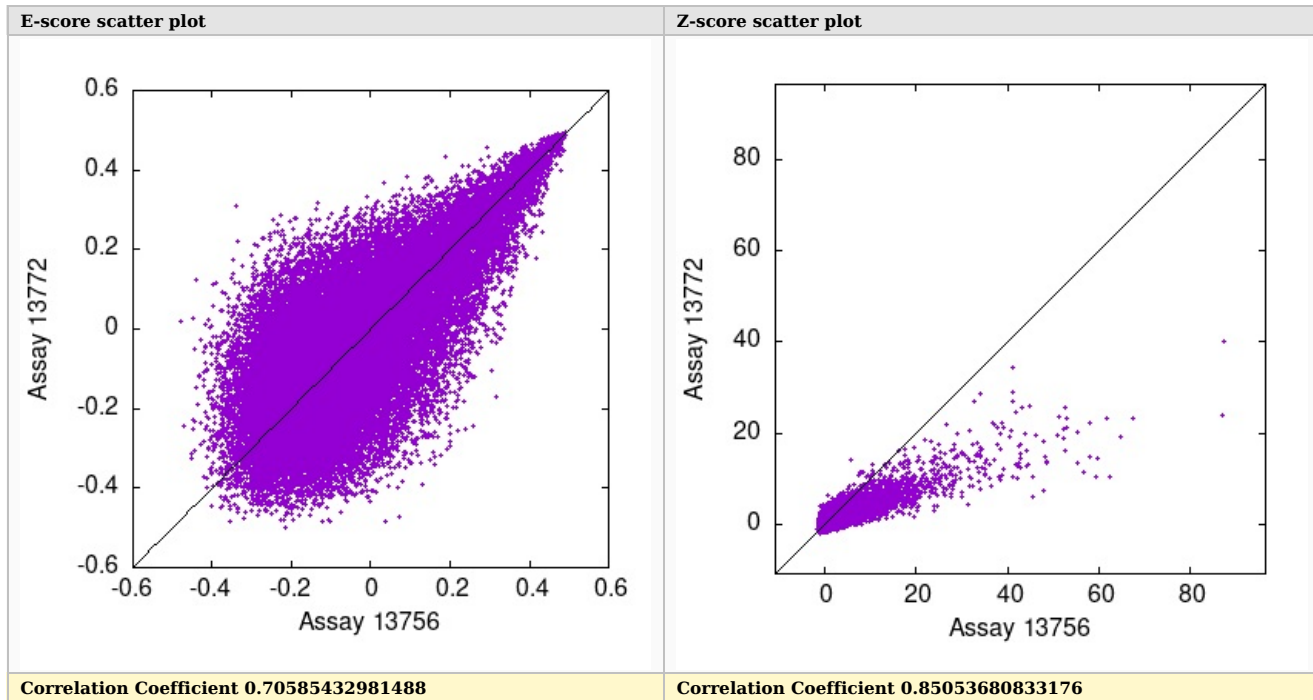


## QC report



### Top scoring motifs for Assay 13756

Protein ID: pTH14330.1 Gene: TCF20.DBD Domain: Unknown Flag: Pass\_matched\_pair Array: 1M-ME

8 mer E-scores for probeset 'all'			8 mer Z-scores for probeset 'all'		
Forward:		Reverse:	Forward:		Reverse:
Top 10	Scores	Alignment	Top 10	Scores	Alignment
AATTAATT	0.49249	AATTAATT--	AATTAATT	87.48649	AATTAATT--
AATATATT	0.49068	AATATATT--	AATATATT	86.81591	AATATATT--
ATAATATA	0.48590	--TATATTAT	ATTAATTA	67.41261	-ATTAATTA-
AATAAATA	0.48546	TATTTATT--	ATTTATTA	64.69030	-ATTTATTA-
AATTA AAT	0.48527	-ATTTAATT-	ATAATATA	62.28613	--TATATTAT
ATTAATTA	0.48509	-ATTAATTA-	ATTAAATA	61.66012	TATTTAAT--
AATTTAAT	0.48496	AATTTAAT--	TTAATAAA	59.52545	--TTTATTAA
ATATTATA	0.48315	--TATAATAT	ATATTAAA	59.18758	--TTTAATAT
AAATATTA	0.48274	-AAATATTA-	AATTA AAT	58.04923	-ATTTAATT-
ATTTATTA	0.48218	-ATTTATTA-	AAATATTA	57.92143	-AAATATTA-

### Top scoring motifs for Assay 13772

Protein ID: pTH14330.2 Gene: TCF20.DBD Domain: Unknown Flag: Pass\_matched\_pair Array: 1M-HK

8 mer E-scores for probeset 'all'			8 mer Z-scores for probeset 'all'		
Forward:		Reverse:	Forward:		Reverse:
Top 10	Scores	Alignment	Top 10	Scores	Alignment
AATTAATT	0.49534	-AATTAATT--	AATTAATT	40.01188	--AATTAATT--
AATAAATT	0.49339	-AATAAATT--	AATAAATT	34.37050	--AATAAATT--
AATTA AAT	0.49098	-AATTA AAT--	ATTAATTC	29.00948	-GAATTAAT--
ATTAATTC	0.49001	GAATTAAT---	AATAATAA	28.61556	---AATAATA-
AATAATAA	0.48938	--AATAATAA-	AATTAATA	27.01651	--AATTAATA-
AATAAAAA	0.48886	-AATAAAAA--	ATTTATTC	26.81169	-GAATTAAT--
AAATAAAT	0.48857	AAATAAAT---	ATATTAAT	26.00161	---ATTAATAT-
AATATTAA	0.48777	---TTAATATT	TTAATTAA	25.70398	TTAATTAA---
ATATTAAT	0.48764	--ATTAATAT-	ATTAAATC	25.60631	-GATTTAAT--
AATTAATA	0.48761	-AATTAATA--	AATATTAA	24.49242	---TTAATATT