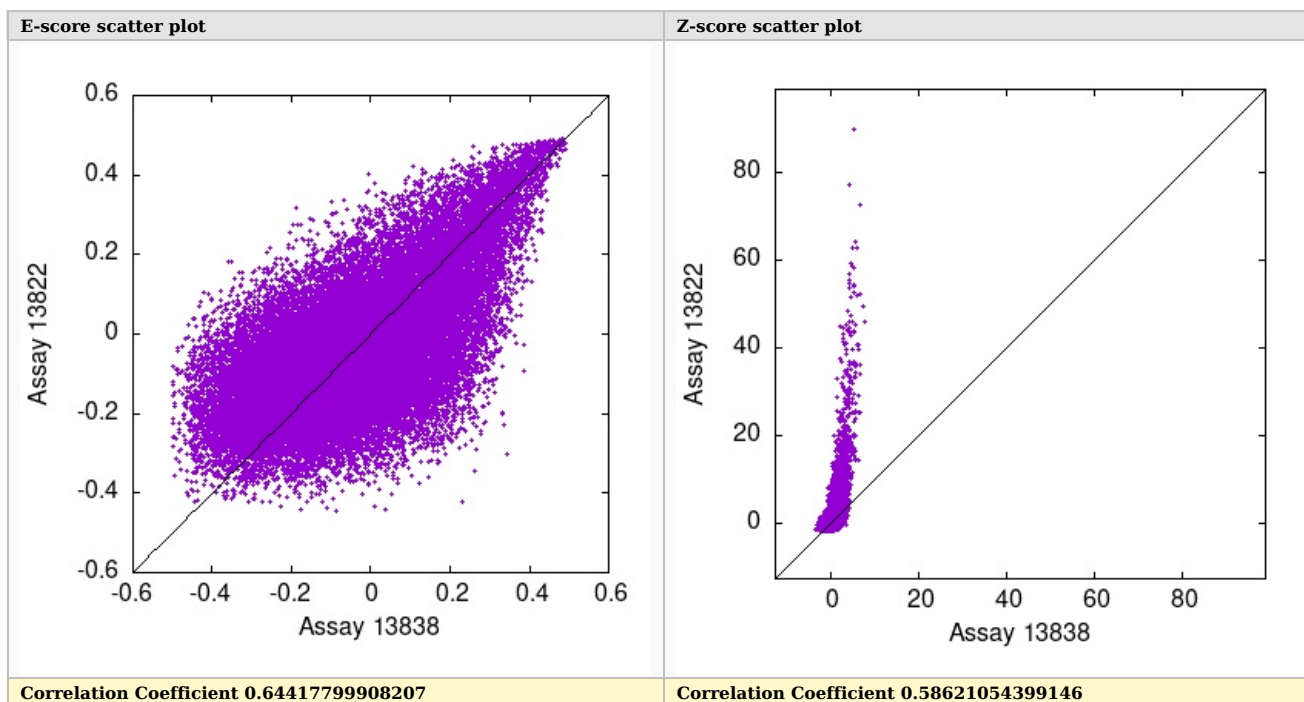


QC report



Top scoring motifs for Assay 13838

Protein ID: pTH13923.2 Gene: SETBP1 Domain: AT_hook Flag: Pass_matched_pair Array: 1M-HK

8 mer E-scores for probeset 'all'

Forward:

Reverse:



Top 10

Scores

Alignment

AAATAAAT	0.49175	--AAATAAAT--
AATAAATT	0.48936	--AATAAATT--
AAAATAAT	0.48586	--AAAATAAT--
AAATTAAT	0.48467	--AAATTAAT--
AATTAATT	0.48359	--AATTAATT--
AAAAATAA	0.48331	AAAAATAA--
AAAAAATA	0.48304	--AAAAAATA--
AAAAAATA	0.48293	--AAAAAATA--
AATATATT	0.48131	--AATATATT--
AAATAATT	0.48050	--AAATAATT--

8 mer Z-scores for probeset 'all'

Forward:

Reverse:



Top 10

Scores

Alignment

AAATAAAT	7.49853	AAATAAAT--
AATATATT	7.35097	--AATATATT--
AATAAATT	6.75758	--AATAAATT--
AATTAATT	6.70163	AATTAATT--
AAAATAAT	6.67506	AAAATAAT--
AAAAAATA	6.52425	--AAAAAATA--
AATAATAA	6.46020	--AATAATAA--
AAATTAAT	6.35150	AAATTAAT--
AAAAATAT	6.34313	AAAAATAT--
AATTTAAA	6.30670	--TTTAAATT--

Top scoring motifs for Assay 13822

Protein ID: pTH13923.1 Gene: SETBP1 Domain: AT_hook Flag: Pass_matched_pair Array: 1M-ME

8 mer E-scores for probeset 'all'

Forward:

Reverse:



Top 10

Scores

Alignment

AATTAATT	0.49106	--AATTAATT--
ATTTAAAT	0.48885	--ATTTAAAT--
AATAAATA	0.48811	--AATAAATA--
AAAAATAA	0.48767	AAAAATAA--
AATATATT	0.48762	--AATATATT--
AAAAAATA	0.48590	--AAAAAATA--
AAAAAATA	0.48536	--AAAAAATA--
AAATATTT	0.48521	--AAATATTT--
ATTAATTA	0.48479	--ATTAATTA--
AATTAATT	0.48452	--AATTAATT--

8 mer Z-scores for probeset 'all'

Forward:

Reverse:



Top 10

Scores

Alignment

AAATATTT	89.61041	AAATATTT--
ATTTAAAT	77.27198	ATTTAAAT--
AATTAATT	72.59506	AATTAATT--
AATTAAT	64.21290	AATTAAT--
AATTTAAT	62.80013	AATTTAAT--
AAATTATT	62.64995	AAATTATT--
ATTAATTA	59.17515	--ATTAATTA--
AATAAATA	58.52811	AATAAATA--
ATAATTAT	58.31327	--ATAATTAT--
AATAATTA	56.93388	--AATAATTA--