





## QC report

Top scoring motifs for Assay 13967

Protein ID: pTH14355.2 Gene: THAP8.DBD Domain: THAP Flag: Reject Array: 1M-HK

8 mer E-scores for probeset 'all'			8 mer Z-scores for probeset 'all'		
Forward:		Reverse:	Forward:		Reverse:
					
Top 10	Scores	Alignment	Top 10	Scores	Alignment
TAAATTAA	0.42678	---TAAATTAA	AATAAATT	8.55976	--AATAAATT--
AATAAATT	0.40928	--AATAAATT--	TAAATTAA	7.29666	---TAAATTAA
AATAAAAA	0.38823	--AATAAAAA--	AATAAAAA	6.77294	--AATAAAAA--
AATATAAA	0.38793	--AATATAAA--	AAAATTAT	6.62875	--ATAATTTT--
ACTATTAA	0.38605	ACTATTAA---	GAAATAAA	6.50511	GAAATAAA---
ATGTATCA	0.38164	-TGATACAT--	ATAAAAAAT	6.46707	--ATAAAAAAT--
AAATTTAT	0.37937	---ATAAATTT-	ATAATTTT	6.20395	--ATAATTTT--
ACATTATA	0.37799	--TATAATGT--	AAATTATC	6.03076	--GATAATTT--
AAATAAAT	0.37478	-AAATAAAT--	CTGTCTTA	6.00324	-TAAGACAG--
AAATTATC	0.37195	--GATAATTT--	ACATTATA	5.88763	--TATAATGT--