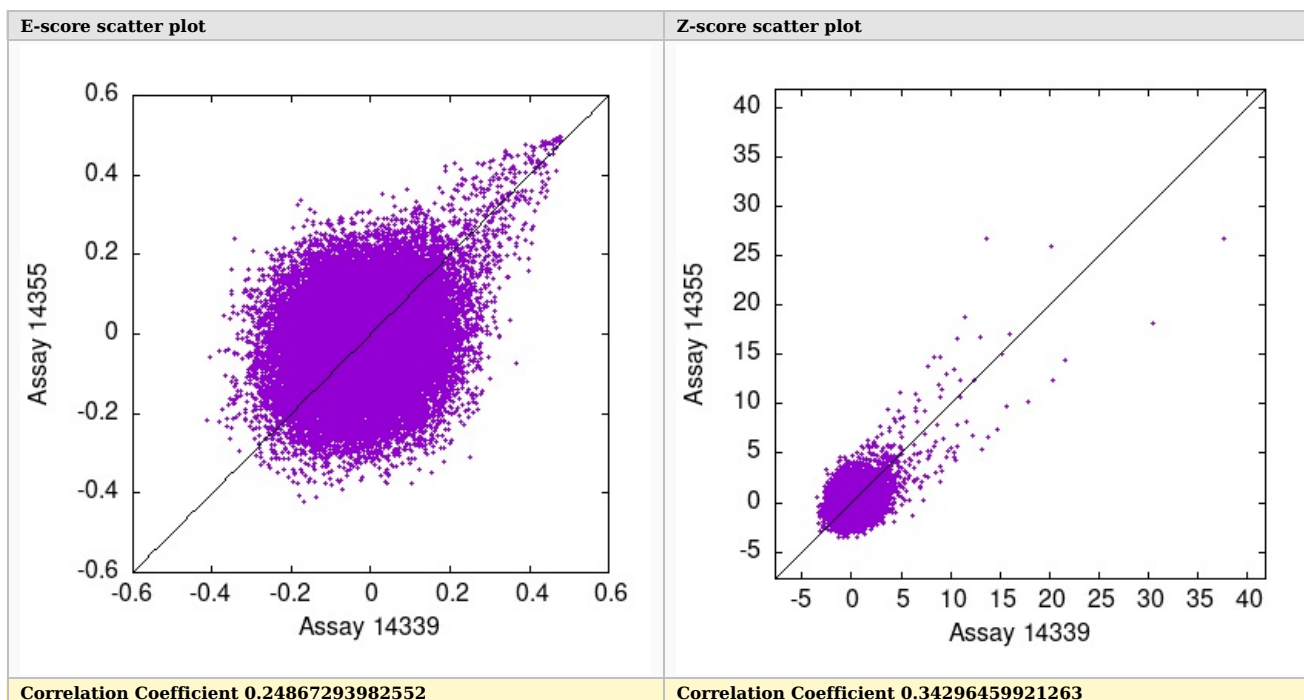


QC report



Top scoring motifs for Assay 14339

Protein ID: pTH15538.1 Gene: NR1H4 Domain: zf-C4 Flag: Pass_matched_pair Array: 1M-ME

8 mer E-scores for probeset 'all'			8 mer Z-scores for probeset 'all'		
Forward:		Reverse:	Forward:		Reverse:
Top 10	Scores	Alignment	Top 10	Scores	Alignment
AAAGGTCA	0.47807	AAAGGTCA--	CGAGGTCA	37.72220	CGAGGTCA--
CGAGGTCA	0.47792	CGAGGTCA--	AAAGGTCA	30.43287	AAAGGTCA--
AGAGGTCA	0.47542	AGAGGTCA--	AGAGGTCA	21.52282	AGAGGTCA--
GAGGTCAA	0.47416	-GAGGTCAA-	AGGTCAAG	20.27743	--AGGTCAAG
CTGACCTC	0.46960	-GAGGTCAAG-	GAGGTCAA	20.20017	-GAGGTCAA-
AGGTCAAG	0.46951	--AGGTCAAG	CTGACCTC	17.90433	-GAGGTCAAG-
GAGGTCAC	0.46895	-GAGGTCAAG-	AAGGTCAT	15.97488	-AAGGTCAT-
ATGACCTC	0.46838	-GAGGTCAAG-	AGGTCAAA	15.67995	--AGGTCAAA
AGGTCAAC	0.46767	--AGGTCAAC	AGGTCAAC	15.15951	--AGGTCAAC
GGGTCAAA	0.46671	--GGGTCAAA	TAGGTCAA	14.76381	-TAGGTCAA-

Top scoring motifs for Assay 14355

Protein ID: pTH15538.2 Gene: NR1H4 Domain: zf-C4 Flag: Pass_matched_pair Array: 1M-HK

8 mer E-scores for probeset 'all'			8 mer Z-scores for probeset 'all'		
Forward:		Reverse:	Forward:		Reverse:
Top 10	Scores	Alignment	Top 10	Scores	Alignment
CGAGGTCA	0.49501	--TGACCTCG	CGAGGTCA	26.74168	--TGACCTCG
GAGGTCAA	0.49371	-TTGACCTC-	GAGGTCA	26.74168	-GTGACCTC-
GAGGTCAC	0.49346	-GTGACCTC-	GAGGTCAA	25.89105	-TTGACCTC-
AAAGGTCA	0.48915	--TGACCTTT	AATGACCT	18.79999	AATGACCT--
AATGACCT	0.48884	AATGACCT--	AAAGGTCA	18.11900	--TGACCTTT
AAGGTCAT	0.48829	-ATGACCTT-	AAGGTCAT	17.08555	-ATGACCTT-
AGGTCAAC	0.48601	GTTGACCT--	ATGACCTC	16.68409	-ATGACCTC-
TGACCTCA	0.48515	--TGACCTCA	TGACCTCA	16.58163	--TGACCTCA
AGAGGTCA	0.48415	--TGACCTCT	AGGTCAAC	15.02292	GTTGACCT--
ATGACCTC	0.48318	-ATGACCTC-	AAGGTCAC	14.77755	-GTGACCTT-