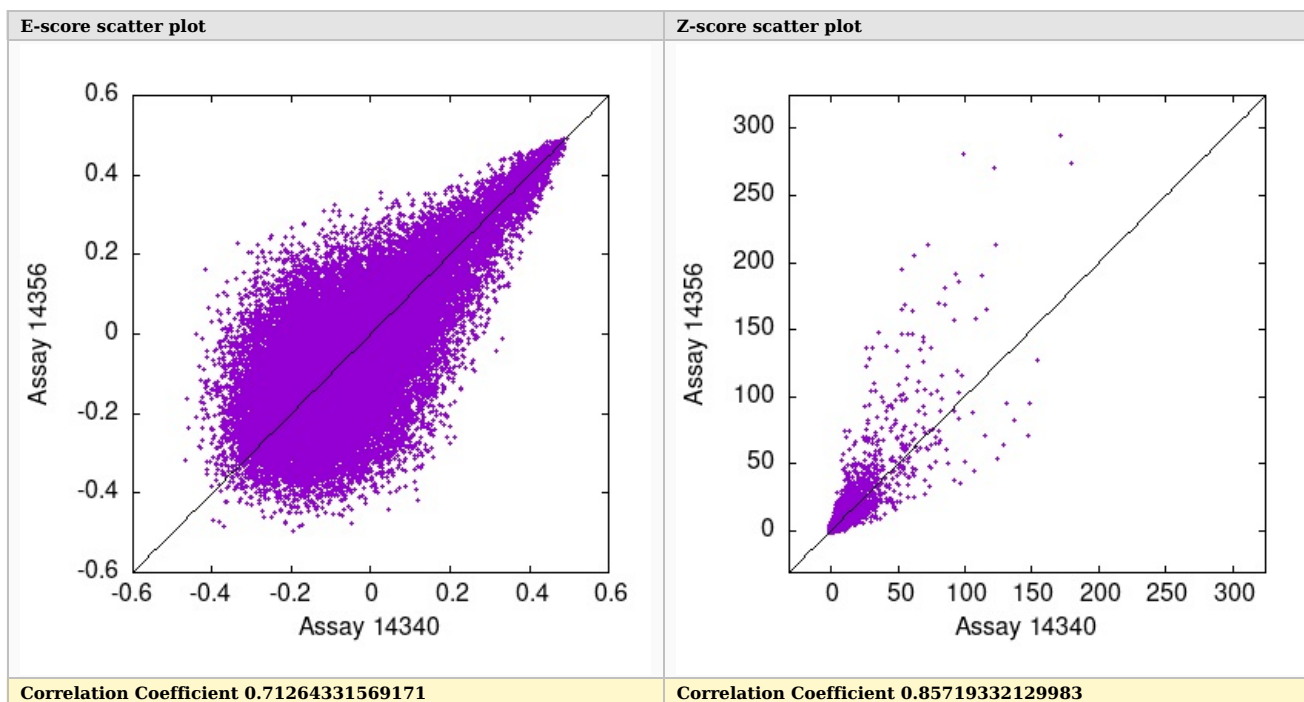


## QC report





## Top scoring motifs for Assay 14340

Protein ID: pTH15539.1 Gene: PAX7 Domain: Homeobox Flag: Pass matched\_pair Array: 1M-ME

## 8 mer E-scores for probeset 'all'

Forward:	Reverse:	
Top 10	Scores	Alignment
CTAATTAA	0.49321	--TTAATTAG
AATTAATT	0.48848	AATTAATT--
TAATTAAG	0.48792	-TTTAATTA-
TTAATTAA	0.48788	--TTAATTAA
AATCGATT	0.48766	AATCGATT--
GTTAATTA	0.48759	-GTTAATTA-
ATTAATTA	0.48600	-ATTAATTA-
GTAATTAC	0.48576	--GTAATTAC
GTAATTAA	0.48556	--TTAATTAC
CAAATTAG	0.48263	--CAAATTAG

## 8 mer Z-scores for probeset 'all'

Forward:		Reverse:	
			
Top 10	Scores	Alignment	
AATTAATT	179.94027	--AATTAATT	
CTAATTAA	171.63726	-CTAATTAA--	
AATCGATT	154.35913	--AATCGATT	
TAATTAAG	148.89010	--TAATTAAG--	
CAAATTAG	146.90844	-CAAATTAG--	
GTAATTAC	136.92684	-GTAATTAC--	
GTTAATTA	130.56497	--TAATTAAC-	
GGTAATTA	128.26148	GGTAATTA--	
GTAATTAA	124.05273	-GTAATTAA--	
CTAATTAG	122.96870	-CTAATTAG--	



## Top scoring motifs for Assay 14356

Protein ID: pTH15539.2 Gene: PAX7 Domain: Homeobox Flag: Pass matched\_pair Array: 1M-HK

## 8 mer E-scores for probeset 'all'

Forward:	Reverse:	
Top 10	Scores	Alignment
TTAATTAA	0.49168	-TTAATTAA--
AATTAATT	0.49109	-- -AATTAATT
CTAATTAA	0.49027	-CTAATTAA--
CTTAATTA	0.48781	-- TAATTAAG-
CCAATTAG	0.48522	-CCAATTAG--
CTAATTAG	0.48499	-CTAATTAG--
GCCAATTA	0.48493	GCCAATTA---
CCAATTAA	0.48481	-CCAATTAA--
GATAATTA	0.48432	GATAATTA---
AATTAACG	0.48395	-- -AATTAACG

## 8 mer Z-scores for probeset 'all'

Forward:		Reverse:	
			
Top 10	Scores	Alignment	
CTAATTAA	294.98430	-CTAATTAA--	
CTTAATTA	281.42627	--TAATTAAG-	
AATTAATT	273.89173	---AATTAATT	
TTAATTAA	270.17533	-TTAATTAA--	
CTAATTAG	213.14637	-CTAATTAG--	
CCAATTAA	212.93276	-CCAATTAA--	
CAATTAAC	205.43957	--CAATTAAC-	
GCCAATTA	195.17265	GCCAATTA---	
GATAATTA	191.81755	GATAATTA---	
AATTAAGG	190.04494	---AATTAAGG	