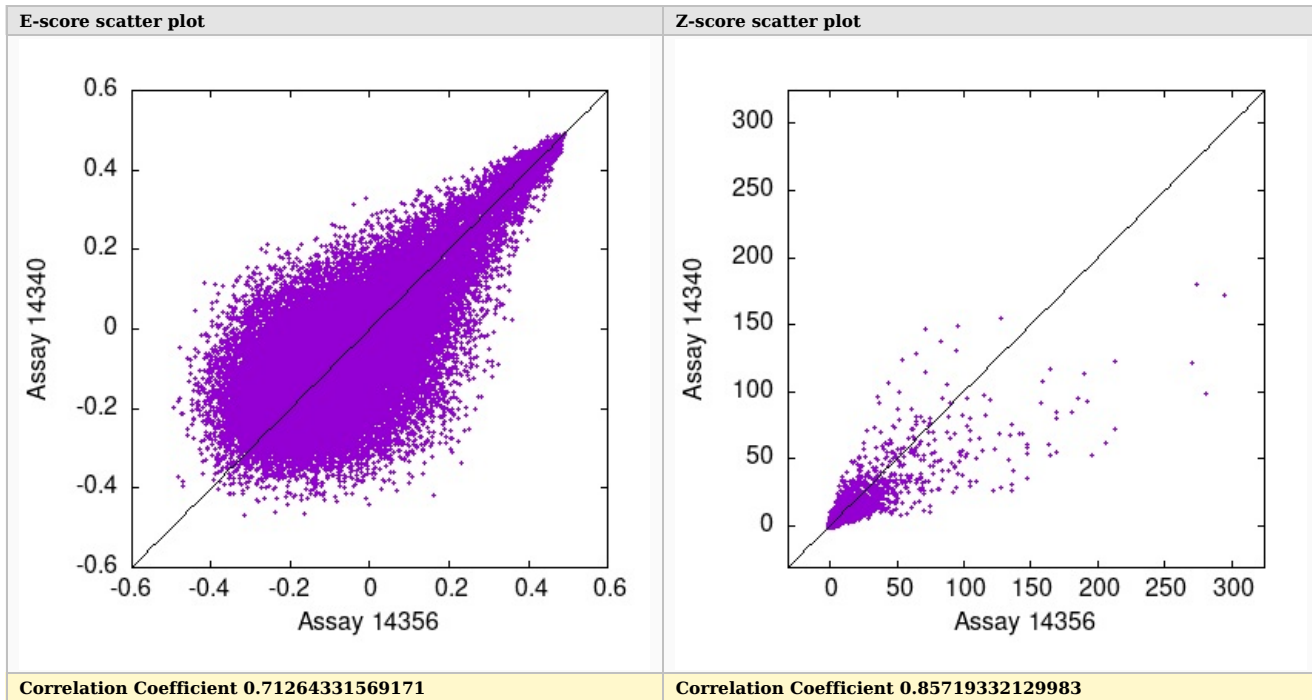


QC report



Top scoring motifs for Assay 14356

Protein ID: pTH15539.2 Gene: PAX7 Domain: Homeobox Flag: Pass matched_pair Array: 1M-HK

8 mer E-scores for probeset 'all'			8 mer Z-scores for probeset 'all'		
Forward:		Reverse:	Forward:		Reverse:
Top 10	Scores	Alignment	Top 10	Scores	Alignment
TTAATTAA	0.49168	--TTAATTAA--	CTAATTAA	294.98430	--CTAATTAA--
AATTAATT	0.49109	---AATTAATT	CTTAATTA	281.42627	--TAATTAAG-
CTAATTAA	0.49027	-CTAATTAA--	AATTAATT	273.89173	---AATTAATT
CTTAATTA	0.48781	--TAATTAAG-	TTAATTAA	270.17533	-TTAATTAA--
CCAATTAG	0.48522	-CCAATTAG--	CTAATTAG	213.14637	-CTAATTAG--
CTAATTAG	0.48499	-CTAATTAG--	CCAATTAA	212.93276	-CCAATTAA--
GCCAATTA	0.48493	GCCAATTA---	CAATTAAC	205.43957	--CAATTAAC-
CCAATTAA	0.48481	-CCAATTAA--	GCCAATTA	195.17265	GCCAATTA---
GATAATTA	0.48432	GATAATTA---	GATAATTA	191.81755	GATAATTA---
AATTAACG	0.48395	---AATTAACG	AATTAAGG	190.04494	---AATTAAGG

Top scoring motifs for Assay 14340

Protein ID: pTH15539.1 Gene: PAX7 Domain: Homeobox Flag: Pass matched_pair Array: 1M-ME

8 mer E-scores for probeset 'all'			8 mer Z-scores for probeset 'all'		
Forward:		Reverse:	Forward:		Reverse:
Top 10	Scores	Alignment	Top 10	Scores	Alignment
CTAATTAA	0.49321	--TTAATTAG	AATTAATT	179.94027	---AATTAATT
AATTAATT	0.48848	AATTAATT--	CTAATTAA	171.63726	-CTAATTAA--
TAATTAAA	0.48792	-TTTAATTAA-	AATCGATT	154.35913	---AATCGATT
TTAATTAA	0.48788	--TTAATTAA	TAATTAAA	148.89010	--TAATTAAA-
AATCGATT	0.48766	AATCGATT--	CAAATTAG	146.90844	-CAAATTAG--
GTTAATTA	0.48759	-GTTAATTA-	GTAATTAC	136.92684	-GTAATTAC--
ATTAATTA	0.48600	-ATTAATTA-	GTTAATTA	130.56497	--TAATTAAC-
GTAATTAC	0.48576	--GTAATTAC	GGTAATTA	128.26148	GGTAATTA---
GTAATTAA	0.48556	--TTAATTAC	GTAATTAA	124.05273	-GTAATTAA--
CAAATTAG	0.48263	--CAAATTAG	CTAATTAG	122.96870	-CTAATTAG--