





## QC report

Top scoring motifs for Assay 13357

Protein ID: pTH14329.2 Gene: SNAPC5 Domain: Unknown Flag: Reject Array: 1M-HK

8 mer E-scores for probeset 'all'			8 mer Z-scores for probeset 'all'		
Forward:		Reverse:	Forward:		Reverse:
					
Top 10	Scores	Alignment	Top 10	Scores	Alignment
AATAAATT	0.44798	-AATAAATT----	ATAATGTA	3.70659	--ATAATGTA---
ATGTATCA	0.43142	TGATACAT-----	ACATTATA	3.68888	-TATAATGT----
GATATGTA	0.42924	-GATATGTA-----	AATAAATT	3.64756	----AATTTATT-
TATTAACA	0.42734	-----TATTAACA-	GATATGTA	3.59684	--GATATGTA---
ATATCACA	0.42576	--ATATCACA-----	GTACATTA	3.51457	---TAATGTAC--
ACAATGTA	0.42449	---TACATTGT---	TATTAACA	3.46251	TGTTAATA-----
ATAAATTA	0.42327	--ATAAATTA-----	AATATTAA	3.43776	--TTAATATT---
GTACATTA	0.41828	--GTACATTA-----	ATAAATTA	3.39797	---TAATTTAT--
ACTATAAT	0.41441	-----ATTATAGT	ATGTATCA	3.38965	-----ATGTATCA
AATATTAA	0.41356	---AATATTAA---	GTATACTA	3.38756	---TAGTATAC--