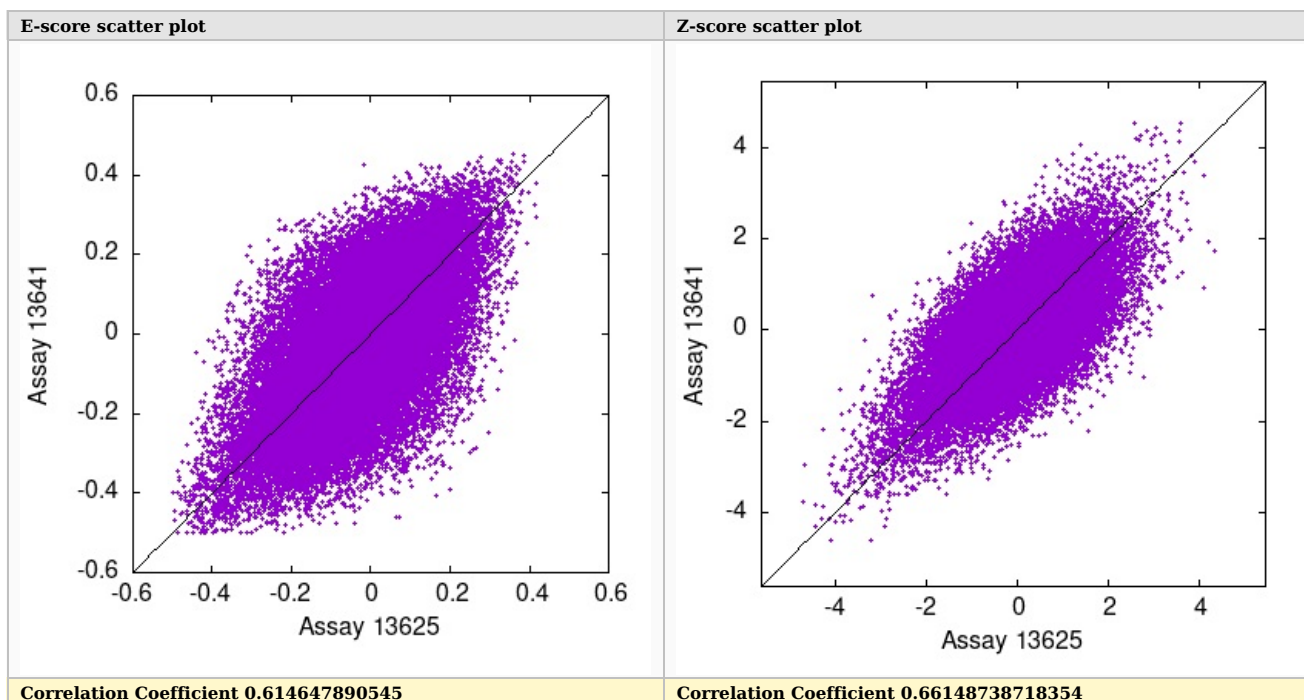


QC report



Top scoring motifs for Assay 13625

Protein ID: pTH13918.1 Gene: GLYR1.FL Domain: AT_hook Flag: Reject Array: 1M-ME

8 mer E-scores for probeset 'all'			8 mer Z-scores for probeset 'all'		
Forward:		Reverse:	Forward:		Reverse:
Top 10	Scores	Alignment	Top 10	Scores	Alignment
AAAATTTT	0.41894	---AAAATTTT--	ATAATATA	4.31483	---ATAATATA---
ATAATATA	0.41626	---ATAATATA--	ACAACAAT	4.18265	ACAACAAT-----
ATAATTTA	0.41398	---ATAATTTA--	ATAATTTA	4.18217	---ATAATTTA---
ATATTTAA	0.39764	---ATATTTAA--	AAAATTTT	4.08283	---AAAATTTT---
ACAACAAT	0.39352	ACAACAAT-----	CAATTGCG	4.07666	----CAATTGCG--
AATTAATT	0.38676	-----AATTAATT	AATTATTA	3.88481	-TAATAATT-----
AAAATTAA	0.38675	---AAAATTAA--	AATAATTA	3.81365	--AATAATTA----
ATTATTTA	0.38281	---ATTATTTA--	GCATAAAA	3.77522	-----TTTTATGC
ATAAATGC	0.38012	----GCATTTAT-	ATAAATGC	3.72014	----GCATTTAT--
AAATTTGT	0.37678	----AAATTTGT-	AAATTTAA	3.70180	----AAATTTAA--

Top scoring motifs for Assay 13641

Protein ID: pTH13918.2 Gene: GLYR1.FL Domain: AT_hook Flag: Passed Array: 1M-HK

8 mer E-scores for probeset 'all'			8 mer Z-scores for probeset 'all'		
Forward:		Reverse:	Forward:		Reverse:
Top 10	Scores	Alignment	Top 10	Scores	Alignment
ATTTAAAT	0.45180	--ATTTAAAT---	AATAAATA	4.51620	-AATAAATA--
AATTAATT	0.44864	--AATTAATT---	ATTTAAAT	4.51214	ATTTAAAT---
GAAATTC	0.44518	----GAAATTC	ATAATTAA	4.43229	--ATAATTAA--
AAAATATT	0.43858	--AAAATATT---	AATATTAA	4.37351	---TTAATATT
ATAATTAA	0.43666	ATAATTAA-----	AATTAATT	4.34371	-AATTAATT--
AATAAATA	0.43273	---AATAAATA--	AATTAAT	4.29523	AATTAAT---
AATATTAA	0.43244	AATATTAA-----	GAAATTC	4.25077	--GAAATTC
AATTTAAT	0.43229	---AATTTAAT--	AAAATATT	4.24975	-AAAATATT--
AATTAAT	0.43197	--AATTAAT---	AAAAATAT	4.17982	---AAAAATAT-
AAAATTAA	0.43180	AAAATTAA-----	ATATTTTC	4.17522	--GAAATAT-