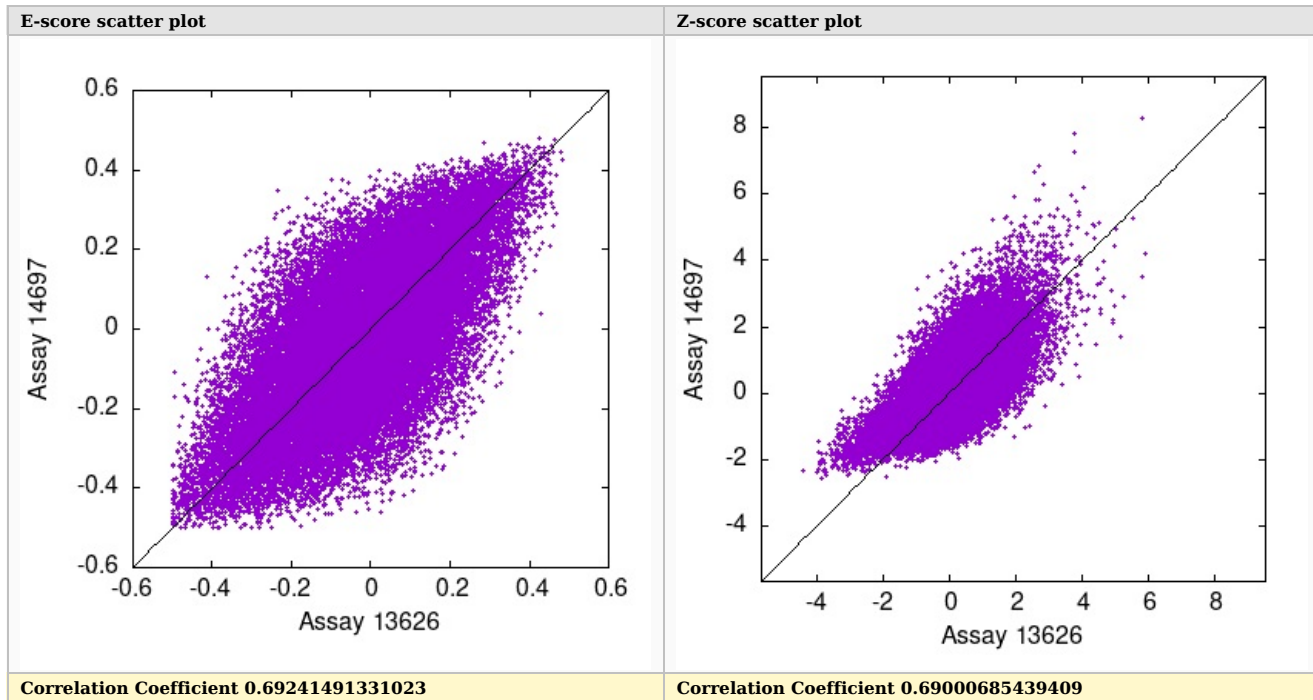




## QC report





### Top scoring motifs for Assay 13626

Protein ID: pTH13919.1 Gene: GLYR1.DBD Domain: AT\_hook Flag: Pass\_matched\_pair Array: 1M-ME

#### 8 mer E-scores for probeset 'all'

Forward:	Reverse:	
		
Top 10	Scores	Alignment
ATTTAAAT	0.48199	ATTTAAAT---
AATTAATT	0.48119	AATTAATT---
ATATATTA	0.46896	TAATATAT---
ATATATAT	0.46791	ATATATAT---
AATATATT	0.46550	-AATATATT--
ATAAATAT	0.46146	--ATAAATAT-
AAAATAAT	0.46119	AAAATAAT---
AACGAATT	0.46104	AACGAATT---
AATATTTA	0.45701	---TAAATATT
AAATAAAT	0.45661	AAATAAAT---

#### 8 mer Z-scores for probeset 'all'

Forward:		Reverse:
		
Top 10	Scores	Alignment
ATTTAAAT	5.90596	ATTTAAAT--
AATATATT	5.82386	AATATATT--
ATATATTA	5.82386	-ATATATTA-
AATTAATT	5.51849	AATTAATT--
AATATTTA	5.23363	AATATTTA--
AACGAATT	5.14920	AACGAATT--
AAAATAAT	5.02124	AAAATAAT--
AATAAATA	4.98625	AATAAATA--
ATATATAT	4.96139	-ATATATAT-
TAAATTTA	4.94597	--TAAATTTA



### Top scoring motifs for Assay 14697

Protein ID: pTH13919.4 Gene: GLYR1.DBD Domain: AT\_hook Flag: Pass\_matched\_pair Array: 1M-HK

#### 8 mer E-scores for probeset 'all'

Forward:	Reverse:	
Top 10	Scores	Alignment
AATAAATT	0.47966	--AATAAATT-
AATATATT	0.47744	--AATATATT-
ACAAAATA	0.46651	--ACAAAATA-
AATATTAA	0.46531	AATATTAA---
ATAAATTA	0.46460	---ATAAATTA
AAAATTAA	0.46227	AAAATTAA---
AAATAAAT	0.46153	--AAATAAAT--
ATATTAAT	0.45767	--ATATTAAT--
AAAATAAA	0.45670	AAAATAAA---
AAATATTT	0.45578	--AAATATTT--

#### 8 mer Z-scores for probeset 'all'

Forward:		Reverse:	
			
Top 10	Scores	Alignment	
AATATATT	8.26500	--AATATATT-	
AATAAATT	7.80140	---AATAAATT	
AAAATTAA	7.27601	-AAAATTAA--	
AATTTAAA	6.86334	--AATTTAAA-	
AATATTAA	6.67980	-AATATTAA--	
ATATTAAT	6.28896	--ATATTAAT-	
AAATAAAT	6.17234	---AATTATTT	
AAATTAAT	5.95404	--AAATTAAT-	
ACAAAATA	5.93722	ACAAAATA---	
ATAAATTA	5.80870	ATAAATTA---	