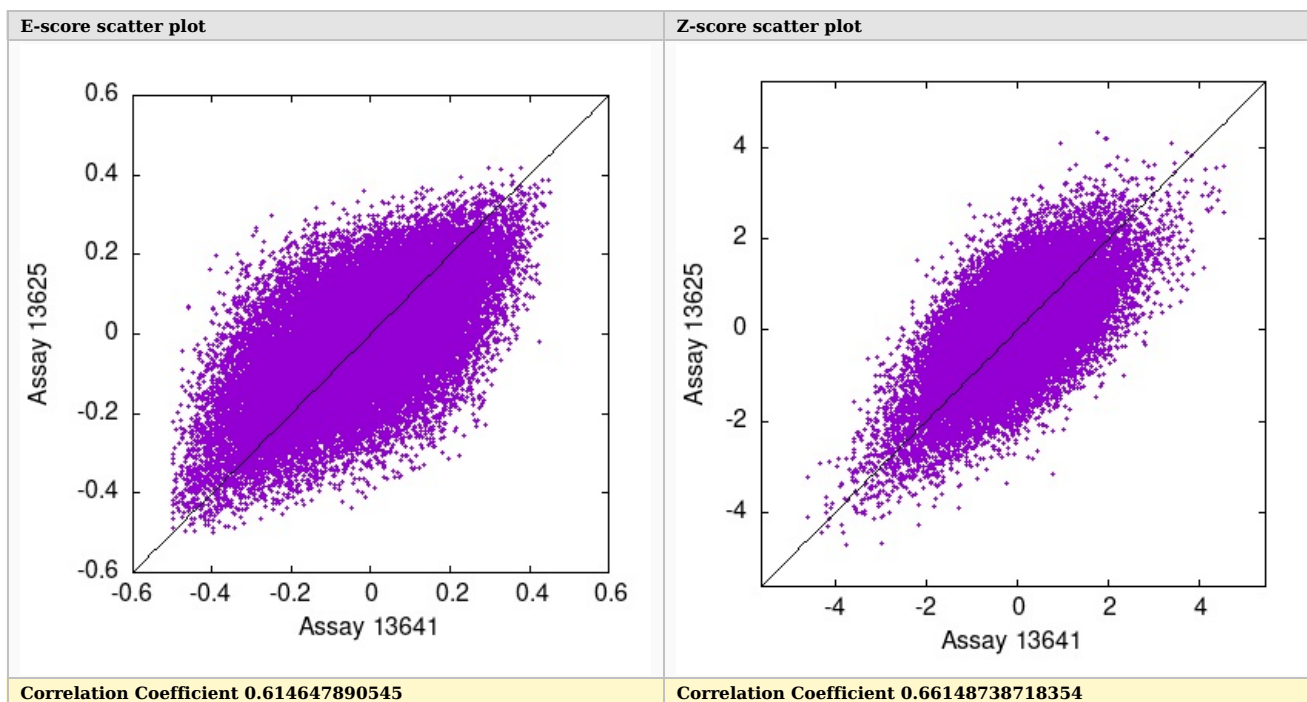


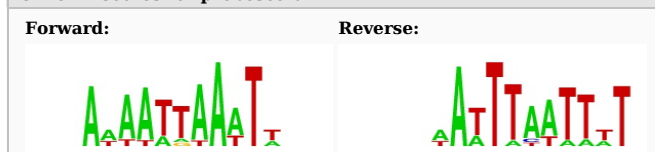
## QC report



### Top scoring motifs for Assay 13641

Protein ID: pTH13918.2 Gene: GLYR1.FL Domain: AT\_hook Flag: Passed Array: 1M-HK

#### 8 mer E-scores for probeset 'all'



Top 10	Scores	Alignment
ATTTAAAT	0.45180	--ATTTAAAT--
AATTAATT	0.44864	--AATTAATT--
GAAATTTT	0.44518	-----GAAATTTT
AAAATATT	0.43858	---AAAATATT---
ATAATTAA	0.43666	ATAATTAA-----
AATAAATA	0.43273	---AATAAATA--
AATATTAA	0.43244	AATATTAA-----
AATTTAAT	0.43229	---AATTTAAT--
AATTAAT	0.43197	--AATTAAT---
AAAATTAA	0.43180	AAAATTAA-----

#### 8 mer Z-scores for probeset 'all'



Top 10	Scores	Alignment
AATAAATA	4.51620	-AATAAATA--
ATTTAAAT	4.51214	ATTTAAAT---
ATAATTAA	4.43229	--ATAATTAA--
AATATTAA	4.37351	---TAAATTAT
AATTAATT	4.34371	-AATTAATT--
AATTAAT	4.29523	AATTAAT---
GAAATTTT	4.25077	---GAAATTTT
AAAATATT	4.24975	---AAAATATT--
AAAATAT	4.17982	--AAAATAT---
ATATTTTC	4.17522	--GAAATAT---

### Top scoring motifs for Assay 13625

Protein ID: pTH13918.1 Gene: GLYR1.FL Domain: AT\_hook Flag: Reject Array: 1M-ME

#### 8 mer E-scores for probeset 'all'



Top 10	Scores	Alignment
AAAATTTT	0.41894	---AAAATTTT--
ATAATATA	0.41626	---ATAATATA--
ATAATTTA	0.41398	---ATAATTTA--
ATATTTAA	0.39764	---ATATTTAA--
ACAACAAT	0.39352	ACAACAAT-----
AATTAATT	0.38676	-----AATTAATT
AAAATTAA	0.38675	---AAAATTAA--
ATTATTTA	0.38281	---ATTATTTA--
ATAATGTC	0.38012	----GCATTTAT-
AAATTTGT	0.37678	-----AAATTTGT-

#### 8 mer Z-scores for probeset 'all'



Top 10	Scores	Alignment
ATAATATA	4.31483	---ATAATATA--
ACAACAAT	4.18265	ACAACAAT-----
ATAATTTA	4.18217	---ATAATTTA--
AAAATTTT	4.08283	---AAAATTTT--
CAATTGCG	4.07666	----CAATTGCG--
AATTATTA	3.88481	-TAATAATT-----
AATAATTA	3.81365	--AATAATTA----
GCATAAAA	3.77522	-----TTTTATGC
ATAATGTC	3.72014	----GCATTTAT--
AAATTTAA	3.70180	-----AAATTTAA--