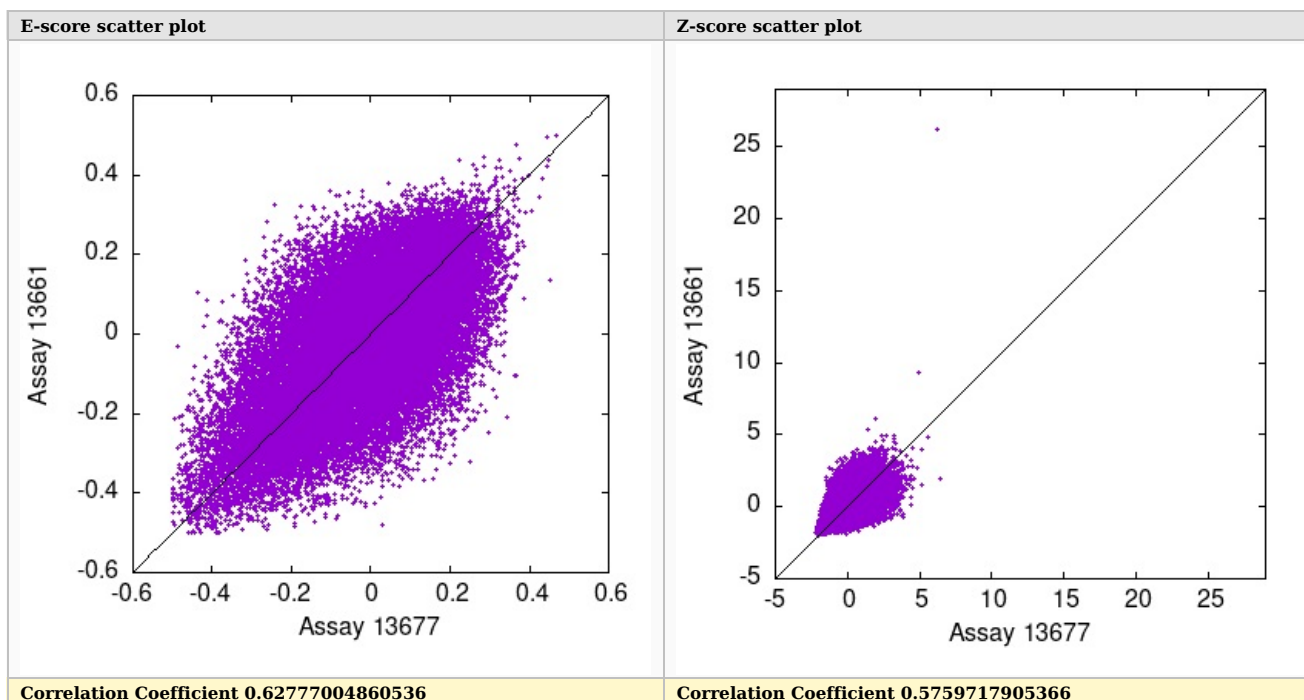


## QC report



### Top scoring motifs for Assay 13677

Protein ID: pTH14259.2 Gene: MSANTD1.DBD Domain: MADF\_DNA\_bdg Flag: Pass\_matched\_pair Array: 1M-HK

#### 8 mer E-scores for probeset 'all'

Forward:		Reverse:	
Top 10	Scores	Alignment	
ACTTAAGT	0.46669	--ACTTAAGT--	
GATGCATC	0.45206	--GATGCATC--	
TCTTAAGA	0.44927	--TCTTAAGA--	
ACTTAAGA	0.44583	--ACTTAAGA--	
CACTTAAG	0.44432	-CACTTAAG--	
CTCTTAAG	0.43489	---CTTAAGAG-	
ATCTTAAG	0.42645	---CTTAAGAT-	
TATCTTAA	0.40686	----TTAAGATA	
ACACTTAA	0.39812	ACACTTAA----	
CGCTTAAG	0.39093	-CGCTTAAG--	

#### 8 mer Z-scores for probeset 'all'

Forward:		Reverse:	
Top 10	Scores	Alignment	
GATGCATC	6.44176	-GATGCATC--	
ACTTAAGT	6.24752	-ACTTAAGT--	
TCTTAAGA	5.56741	-TCTTAAGA--	
CGCTTAAG	5.14748	CGCTTAAG--	
ACTTAAGA	5.13291	-ACTTAAGA--	
CACTTAAG	4.91856	CACTTAAG--	
CTCTTAAG	4.83284	--CTTAAGAG-	
TATCTTAA	4.61817	---TTAAGATA	
AACGTTTG	4.56545	AACGTTTG--	
CTTAAGAC	4.55179	--CTTAAGAC-	

### Top scoring motifs for Assay 13661

Protein ID: pTH14259.1 Gene: MSANTD1.DBD Domain: MADF\_DNA\_bdg Flag: Pass\_matched\_pair Array: 1M-ME

#### 8 mer E-scores for probeset 'all'

Forward:		Reverse:	
Top 10	Scores	Alignment	
ACTTAAGT	0.49988	--ACTTAAGT	
CACTTAAG	0.49444	-CACTTAAG-	
AACTTAAG	0.47579	-AACTTAAG-	
GCACTTAA	0.44618	GCACTTAA--	
CTTAAGTA	0.44170	-TACTTAAG-	
CCACTTAA	0.43728	CCACTTAA--	
ACTTAAGC	0.43647	--ACTTAAGC	
TCTTAAGA	0.43647	--TCTTAAGA	
ATGTACAT	0.42512	--ATGTACAT	
ACTTAAGA	0.42087	--ACTTAAGA	

#### 8 mer Z-scores for probeset 'all'

Forward:		Reverse:	
Top 10	Scores	Alignment	
ACTTAAGT	26.12302	--ACTTAAGT--	
CACTTAAG	9.29489	-CACTTAAG--	
AACTTAAG	6.13794	-AACTTAAG--	
ATGTACAT	5.33846	--ATGTACAT--	
ATGTTAAC	4.94068	-ATGTTAAC--	
TGTATACA	4.93963	--TGTATACA--	
GCACTTAA	4.92702	GCACTTAA----	
TCTTAAGA	4.80196	--TCTTAAGA--	
TAAATTTA	4.70474	---TAAATTTA	
AATGCATT	4.65082	--AATGCATT--	