





QC report

Top scoring motifs for Assay 13917

Protein ID: pTH14211.1 Gene: TIGD3.FL Domain: CENP-B_N Flag: Reject Array: 1M-ME

8 mer E-scores for probeset 'all'			8 mer Z-scores for probeset 'all'		
Forward:		Reverse:	Forward:		Reverse:
					
Top 10	Scores	Alignment	Top 10	Scores	Alignment
ACATATGT	0.42022	-ACATATGT--	GAATATTC	4.65559	GAATATTC--
GCATATGC	0.41707	-GCATATGC--	AATGCATT	4.22313	---AATGCATT
TATGCATA	0.41569	----TATGCATA	ACATATGT	4.16564	ACATATGT--
CATATGCA	0.39720	--CATATGCA--	GCATATGC	4.03234	GCATATGC--
ATTCACAG	0.39051	---ATTCACAG-	ATGTACAT	4.03043	--ATGTACAT-
ACATGCAT	0.38704	---ACATGCAT-	AGTGAATA	3.98277	---TATTCATT
TATATGCA	0.38482	--TATATGCA--	ACATGCAT	3.92828	--ACATGCAT-
AATGCATT	0.38248	---AATGCATT	ATATTCAC	3.84538	--ATATTCAC-
ATTATCTG	0.37523	ATTATCTG---	ATGATCAT	3.82591	--ATGATCAT-
CATATGTA	0.37397	--CATATGTA--	ATAATGCA	3.79810	--ATAATGCA-