





QC report

Top scoring motifs for Assay 13931

Protein ID: pTH14208.2 Gene: ZGPAT.DBD Domain: zf-CCCH Flag: Reject Array: 1M-HK

8 mer E-scores for probeset 'all'			8 mer Z-scores for probeset 'all'		
Forward:		Reverse:	Forward:		Reverse:
					
Top 10	Scores	Alignment	Top 10	Scores	Alignment
AACAACAA	0.41579	--AACAACAA---	AACAACAA	8.58551	-TTGTTGTT---
AATATTAA	0.37162	AATATTAA-----	CTGTATTA	6.61124	-CTGTATTA---
AATTTAAA	0.36339	-AATTTAAA----	ATAATACA	6.51052	--TGTATTAT--
ATAATACA	0.35009	-ATAATACA----	CTTAATTA	6.41561	-CTTAATTA---
CTGTATTA	0.34691	--TAATACAG---	CGTTTGTA	6.02273	-CGTTTGTA---
CGTTTGTA	0.34041	-----TACAAACG	CTATTATC	5.67579	---CTATTATC-
AATAAATT	0.33673	---AATAAATT--	AATTAAGG	5.31401	CCTTAATT----
CGTGATCC	0.33602	CGTGATCC-----	GATTTATA	5.31273	----TATAAATC
ACACGAAA	0.33505	-ACACGAAA----	AATTTAAA	5.29045	TTTAAATT----
ACGTCGGG	0.33182	---ACGTCGGG--	ACATTTAC	4.95222	--ACATTTAC--