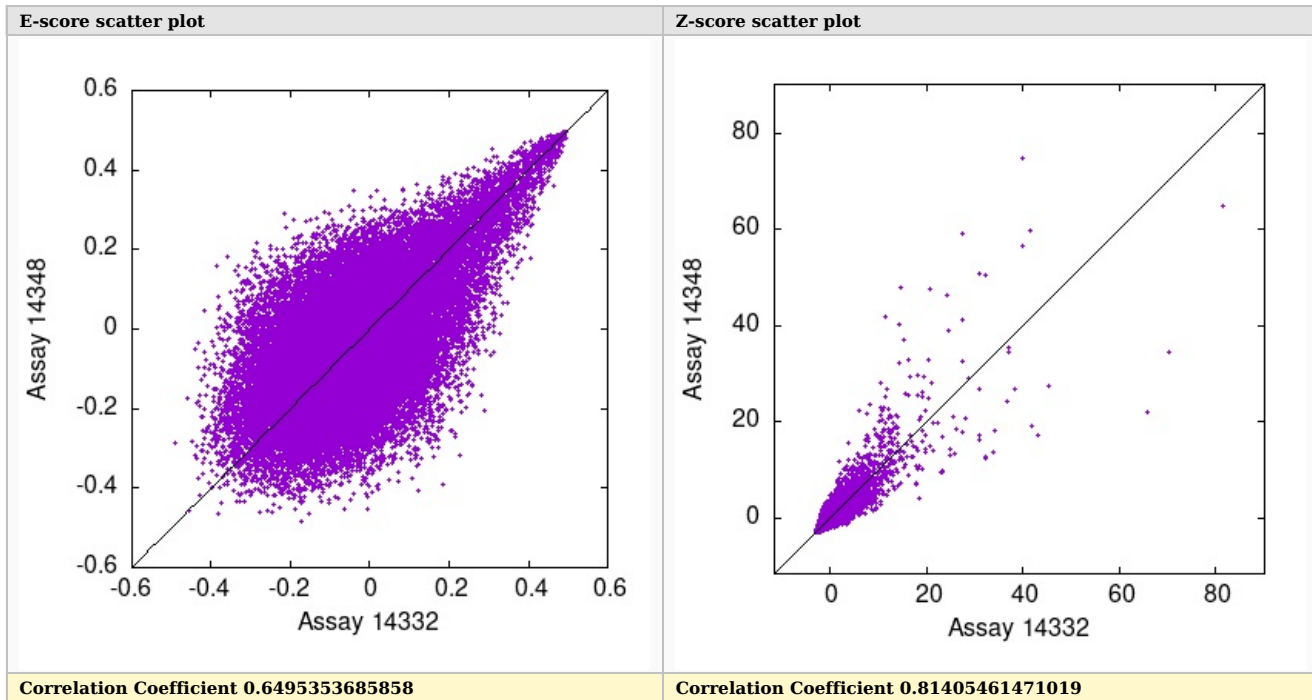


## QC report



### Top scoring motifs for Assay 14332

Protein ID: pTH15531.1 Gene: LHX6 Domain: Homeobox Flag: Pass\_matched\_pair Array: 1M-ME

8 mer E-scores for probeset 'all'			8 mer Z-scores for probeset 'all'		
Forward:		Reverse:	Forward:		Reverse:
Top 10	Scores	Alignment	Top 10	Scores	Alignment
CTAATTAA	0.49603	-CTAATTAA-	CTAATTAA	81.61221	-CTAATTAA--
GTAATTAA	0.49348	-GTAATTAA-	TAATTAAA	70.19233	--TAATTAAA-
TAATTAAA	0.49232	--TAATTAAA	GTAATTAA	65.72579	-GTAATTAA--
ATTAATTA	0.49195	--TAATTAAT	GGTAATTA	45.41627	GGTAATTA---
GTTAATTA	0.49137	--TAATTAAC	GTTAATTA	43.16373	--TAATTAAC-
TTAATTAA	0.49056	-TTAATTAA-	ATTAATTA	41.70647	--TAATTAAT-
ACTAATTA	0.48942	ACTAATTA--	CTAATTAG	41.43431	-CTAATTAG--
CTTAATTA	0.48941	--TAATTAAG	ACTAATTA	40.08787	ACTAATTA---
GTAATTAC	0.48920	-GTAATTAC-	CTTAATTA	39.82807	--TAATTAAG-
ATAATTAA	0.48843	-ATAATTAA-	AATTAATT	38.25145	---AATTAATT

### Top scoring motifs for Assay 14348

Protein ID: pTH15531.2 Gene: LHX6 Domain: Homeobox Flag: Pass\_matched\_pair Array: 1M-HK

8 mer E-scores for probeset 'all'			8 mer Z-scores for probeset 'all'		
Forward:		Reverse:	Forward:		Reverse:
Top 10	Scores	Alignment	Top 10	Scores	Alignment
CTAATTAA	0.49462	-CTAATTAA-	CTTAATTA	74.76901	--TAATTAAG-
CTTAATTA	0.49456	--TAATTAAG	CTAATTAA	64.69894	-CTAATTAA--
TTAATTAA	0.49377	-TTAATTAA-	CTAATTAG	59.76479	-CTAATTAG--
CTAATTAG	0.49366	-CTAATTAG-	GCTAATTA	59.24199	GCTAATTA---
ACTAATTA	0.49102	ACTAATTA--	ACTAATTA	56.44991	ACTAATTA---
GCTAATTA	0.48918	GCTAATTA--	TTAATTAA	50.75559	-TTAATTAA--
CCTAATTA	0.48805	CCTAATTA--	CATAATTA	50.55314	CATAATTA---
GTTAATTA	0.48803	--TAATTAAC	AATTAAGG	47.92385	---AATTAAGG
GATAATTA	0.48785	GATAATTA--	ATAATTAG	47.51053	-CTAATTAT--
CTAATTAC	0.48733	-CTAATTAC-	CTAATTAC	46.17574	-CTAATTAC--