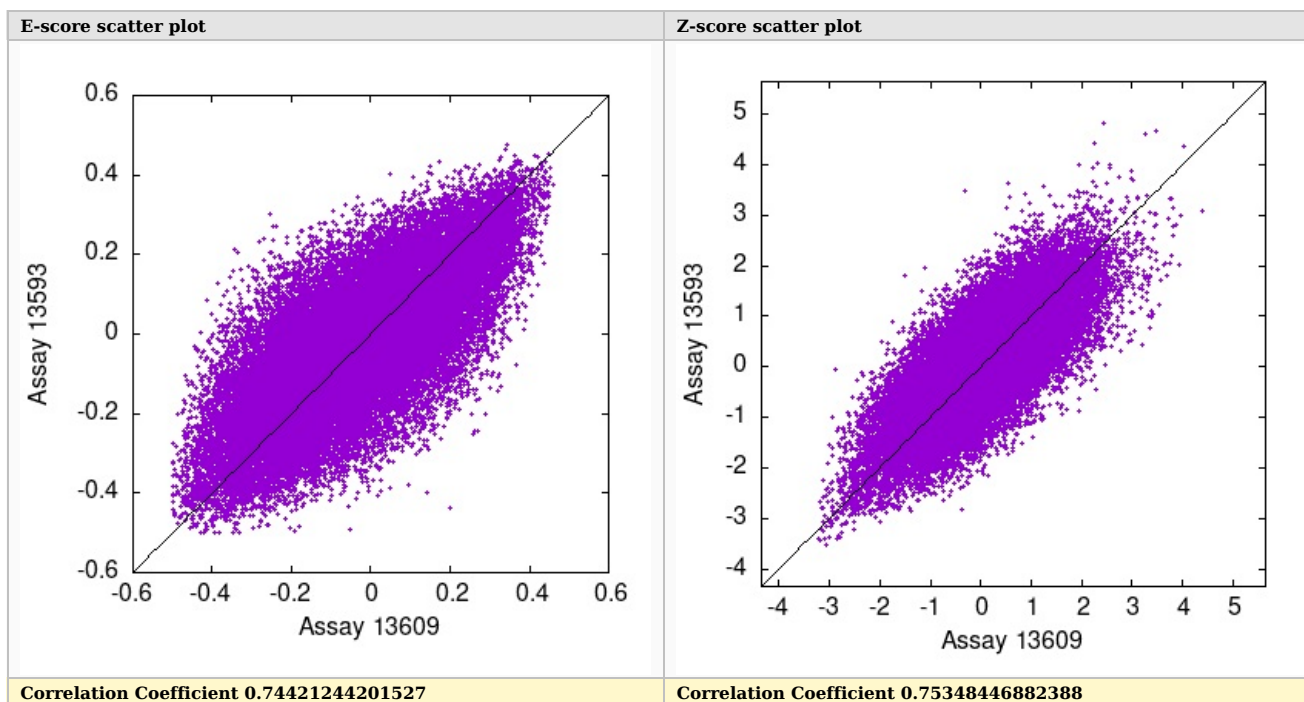


QC report



Top scoring motifs for Assay 13609

Protein ID: pTH14225.2 Gene: DMRTB1.FL Domain: DM Flag: Pass matched_pair Array: 1M-HK

8 mer E-scores for probeset 'all'

Forward:

Reverse:



Top 10

Scores

Alignment

AATAATAA	0.45852	--AATAATAA---
AATATTAA	0.45384	--AATATTAA---
ATAATAAT	0.45318	--ATAATAAT---
ATTATTAA	0.44912	--TTAATAAT---
ACATTATA	0.44909	ACATTATA---
TATTATAA	0.44882	--TATTATAA---
AAAATAAT	0.44829	--AAAATAAT---
AATATATT	0.44718	--AATATATT---
AATAATGT	0.44702	---AATAATGT
TATTAACA	0.44608	---TATTAACA-

8 mer Z-scores for probeset 'all'

Forward:

Reverse:



Top 10

Scores

Alignment

AATAATAA	4.39021	---TTATTATT
AATATATT	4.02987	--AATATATT-
AATATTAA	3.97644	--AATATTAA-
TTCATGAA	3.94286	--TTCATGAA-
TATTATAA	3.88661	-TATTATAA--
AATAATGT	3.82457	ACATTATT---
AAAATAAT	3.81141	--ATTATTTT-
ATATTAAT	3.80696	---ATATTAA-
ATTATAAT	3.78847	--ATTATAAT-
ATTATTAA	3.78772	--ATTATTAA-

Top scoring motifs for Assay 13593

Protein ID: pTH14225.1 Gene: DMRTB1.FL Domain: DM Flag: Pass matched_pair Array: 1M-ME

8 mer E-scores for probeset 'all'

Forward:

Reverse:



Top 10

Scores

Alignment

ATAATATA	0.47491	--TATATTAT--
ATTATATA	0.46614	TATATAAT----
AATATATT	0.45394	AATATATT----
ATATAATA	0.44894	-ATATAATA---
TATTAATA	0.44788	-TATTAATA---
AAATATAT	0.44585	-ATATATTT---
ATTTAAAT	0.44454	-ATTTAAAT---
AACAATTA	0.43885	----TAATTGTT
ATATTATA	0.43788	--TATAATAT--
AAAAGAAT	0.43424	AAAAGAAT----

8 mer Z-scores for probeset 'all'

Forward:

Reverse:



Top 10

Scores

Alignment

ATAATATA	4.81308	--ATAATATA--
AAATATAT	4.66159	---AAATATAT-
TATTAATA	4.60997	TATTAATA----
AACAATTA	4.43084	---TAATTGTT-
AATATATT	4.37465	----AATATATT
AATTGTTA	4.04187	---TAACAATT-
ATATTAAA	3.99970	-TTTAATAT---
ATTATATA	3.98952	--ATTATATA--
AAATATTT	3.93271	---AAATATTT-
ATATAATA	3.92772	---TATTATAT-