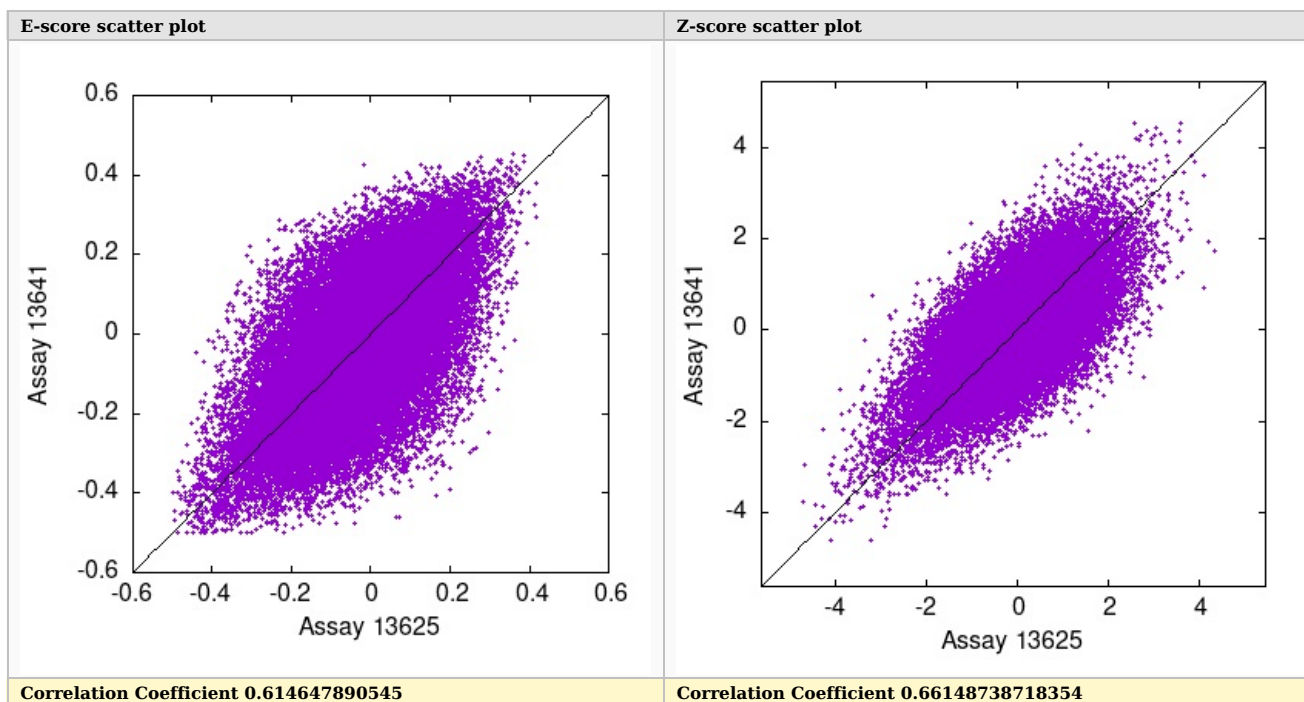


QC report



Top scoring motifs for Assay 13625

Protein ID: pTH13918.1 Gene: GLYR1.FL Domain: AT_hook Flag: Reject Array: 1M-ME

8 mer E-scores for probeset 'all'

Forward:		Reverse:	
Top 10	Scores	Alignment	
AAAATTTT	0.41894	---AAAATTTT--	
ATAATATA	0.41626	---ATAATATA--	
ATAATTTA	0.41398	---ATAATTTA--	
ATATTTAA	0.39764	---ATATTTAA--	
ACAACAAT	0.39352	ACAACAAT----	
AATTAATT	0.38676	-----AATTAATT	
AAAATTAA	0.38675	---AAAATTAA--	
ATTATTTA	0.38281	---ATTATTTA--	
ATAAATGC	0.38012	----GCATTTAT-	
AAATTGT	0.37678	----AAATTTGT-	

8 mer Z-scores for probeset 'all'

Forward:		Reverse:	
Top 10	Scores	Alignment	
ATAATATA	4.31483	---ATAATATA---	
ACAACAAT	4.18265	ACAACAAT-----	
ATAATTTA	4.18217	---ATAATTTA---	
AAAATTTT	4.08283	---AAAATTTT---	
CAATTGCG	4.07666	----CAATTGCG--	
AATTATTA	3.88481	-TAATAATT-----	
AATAATTA	3.81365	--AATAATTA----	
GCATAAAA	3.77522	-----TTTTATGC	
ATAAATGC	3.72014	----GCATTTAT--	
AAATTTAA	3.70180	----AAATTTAA--	

Top scoring motifs for Assay 13641

Protein ID: pTH13918.2 Gene: GLYR1.FL Domain: AT_hook Flag: Passed Array: 1M-HK

8 mer E-scores for probeset 'all'

Forward:		Reverse:	
Top 10	Scores	Alignment	
ATTTAAAT	0.45180	--ATTTAAAT---	
AATTAATT	0.44864	--AATTAATT---	
GAAATTC	0.44518	----GAAATTC	
AAAATATT	0.43858	--AAAATATT---	
ATAATTAA	0.43666	ATAATTAA-----	
AATAAATA	0.43273	---AATAAATA--	
AATATTAA	0.43244	AATATTAA-----	
AATTTAAT	0.43229	---AATTTAAT---	
AATTAAT	0.43197	--AATTAAT---	
AAAATTAA	0.43180	AAAATTAA-----	

8 mer Z-scores for probeset 'all'

Forward:		Reverse:	
Top 10	Scores	Alignment	
AATAAATA	4.51620	-AATAAATA--	
ATTTAAAT	4.51214	ATTTAAAT---	
ATAATTAA	4.43229	--ATAATTAA--	
AATATTAA	4.37351	---TTAATATT	
AATTAATT	4.34371	-AATTAATT--	
AATTAAT	4.29523	AATTAAT---	
GAAATTC	4.25077	--GAAATTC	
AAAATATT	4.24975	-AAAATATT--	
AAAAATAT	4.17982	--AAAAATAT-	
ATATTTTC	4.17522	--GAAATAT-	