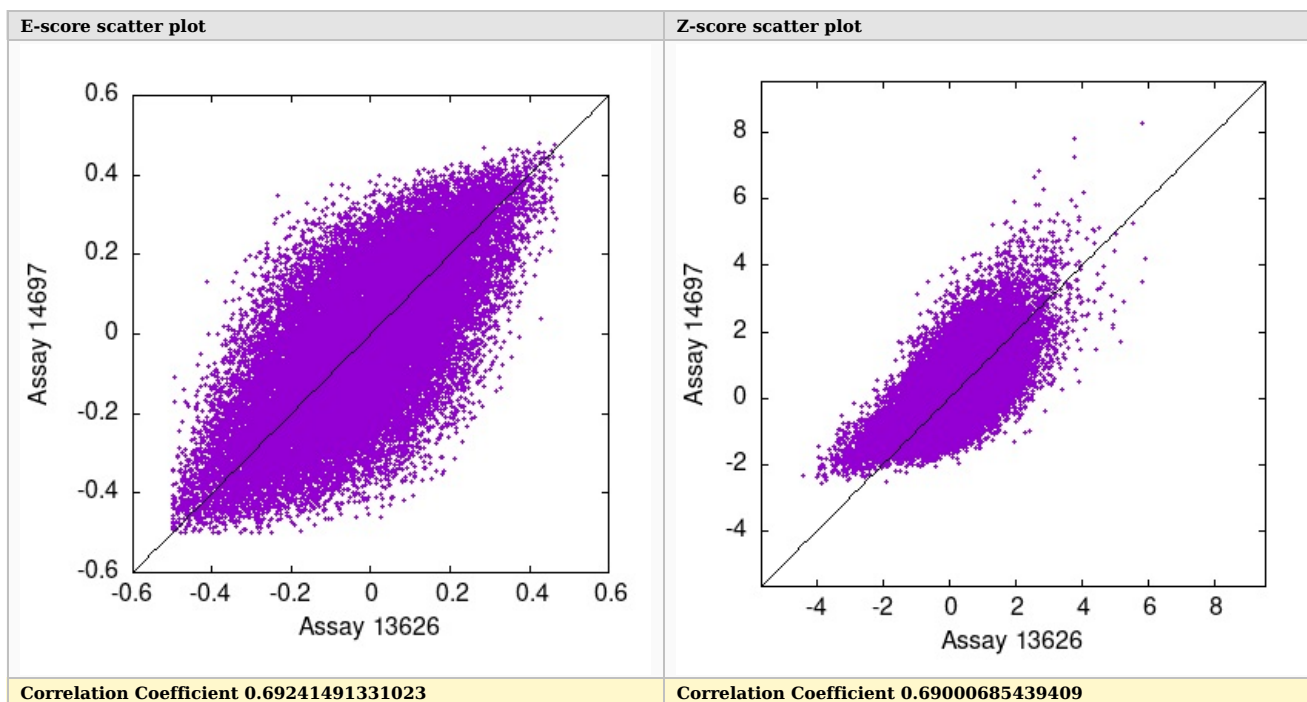




QC report





Top scoring motifs for Assay 13626

Protein ID: pTH13919.1 Gene: GLYR1.DBD Domain: AT_hook Flag: Pass_matched_pair Array: 1M-ME

8 mer E-scores for probeset 'all'

Forward:		Reverse:	
			
Top 10	Scores	Alignment	
ATTTAAAT	0.48199	ATTTAAAT ---	
AATTAATT	0.48119	AATTAATT ---	
ATATATTA	0.46896	TAATATAT ---	
ATATATAT	0.46791	ATATATAT ---	
AATATATT	0.46550	--AATATATT--	
ATAAATAT	0.46146	--ATAAATAT--	
AAAATAAT	0.46119	AAAATAAT ---	
AACGAATT	0.46104	AACGAATT ---	
AATATTTA	0.45701	---TAAATATT	
AAATAAAT	0.45661	AAATAAAT ---	

8 mer Z-scores for probeset 'all'

Forward:		Reverse:	
			
Top 10	Scores	Alignment	
ATTTAAAT	5.90596	ATTTAAAT --	
AATATATT	5.82386	AATATATT --	
ATATATTA	5.82386	-ATATATTA-	
AATTAATT	5.51849	AATTAATT --	
AATATTTA	5.23363	AATATTTA --	
AACGAATT	5.14920	AACGAATT --	
AAAATAAT	5.02124	AAAATAAT --	
AATAAATA	4.98625	AATAAATA --	
ATATATAT	4.96139	-ATATATAT-	
TAAATTTA	4.94597	--TAAATTTA	



Top scoring motifs for Assay 14697

Protein ID: pTH13919.4 Gene: GLYR1.DBD Domain: AT_hook Flag: Pass_matched_pair Array: 1M-HK

8 mer E-scores for probeset 'all'

Forward:	Reverse:	
Top 10	Scores	Alignment
AATAAATT	0.47966	--AATAAATT--
AATATATT	0.47744	--AATATATT--
ACAAAATA	0.46651	--ACAAAATA--
AATATTAA	0.46531	AATATTAA---
ATAAATTA	0.46460	---ATAAATTA
AAAATTAA	0.46227	AAAATTAA---
AAATAAAT	0.46153	--AAATAAAT--
ATATTAAT	0.45767	--ATATTAAT--
AAAATAAA	0.45670	AAAATAAA---
AAATATTT	0.45578	--AAATATTT--

8 mer Z-scores for probeset 'all'

Forward:		Reverse:	
			
Top 10	Scores	Alignment	
AATATATT	8.26500	--AATATATT-	
AATAAATT	7.80140	-- -AATAAATT	
AAAATTAA	7.27601	-AAAATTAA--	
AATTTAAA	6.86334	--AATTTAAA-	
AATATTAA	6.67980	-AATATTAA--	
ATATTAAT	6.28896	--ATATTAAT-	
AAATAAAT	6.17234	-- -AATTATTT	
AAATTAAT	5.95404	--AAATTAAT-	
ACAAAATA	5.93722	ACAAAATA---	
ATAAATTA	5.80870	ATAAATTA---	