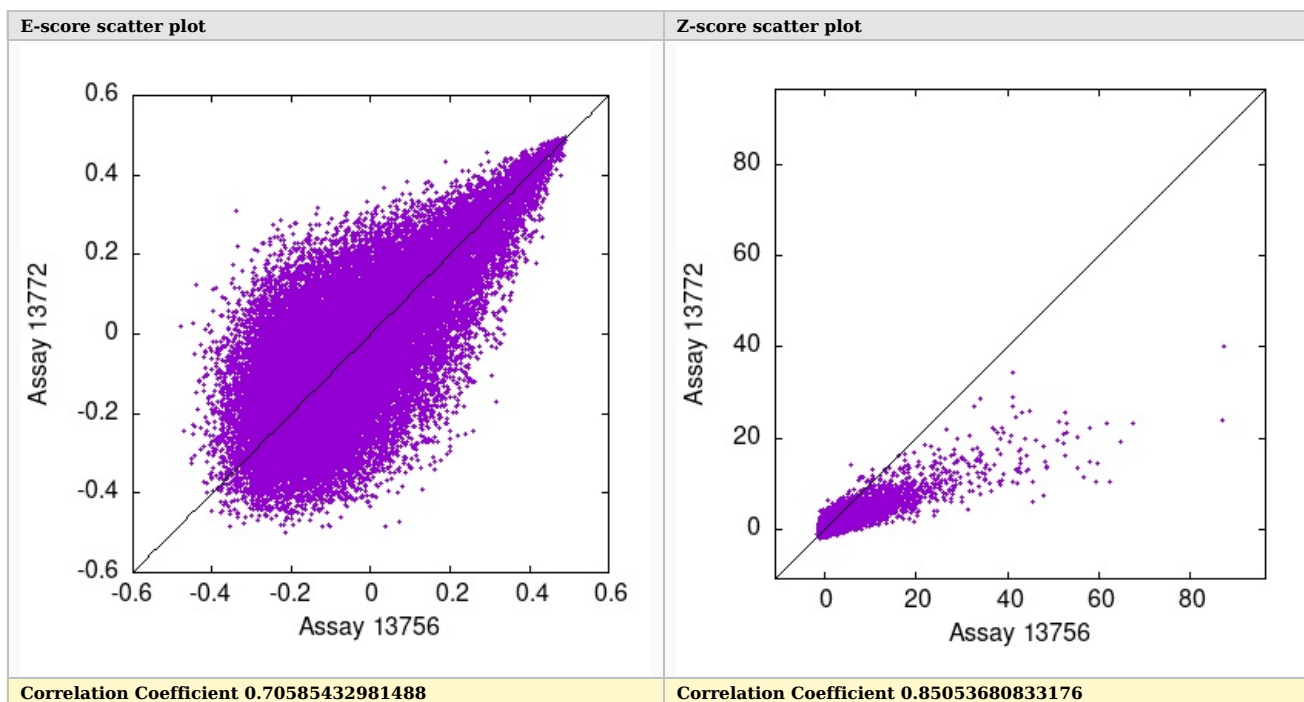




QC report



Top scoring motifs for Assay 13756

Protein ID: pTH14330.1 Gene: TCF20.DBD Domain: Unknown Flag: Pass_matched_pair Array: 1M-ME

8 mer E-scores for probeset 'all'

Forward:		Reverse:	
			
Top 10	Scores	Alignment	
AATTAATT	0.49249	AATTAATT--	
AATATATT	0.49068	AATATATT--	
ATAATATA	0.48590	--TATATTAT	
AATAAATA	0.48546	TATTTATT--	
AATTAAAT	0.48527	-ATTTAATT-	
ATTAATTA	0.48509	-ATTAATTA-	
AATTTAAT	0.48496	AATTTAAT--	
ATATTATA	0.48315	--TATAATAT	
AAATATTA	0.48274	-AAATATTA-	
ATTTATTA	0.48218	-ATTTATTA-	



8 mer Z-scores for probeset 'all'

Forward:		Reverse:	
Top 10	Scores	Alignment	
AATTAATT	87.48649	AATTAATT--	
AATATATT	86.81591	AATATATT--	
ATTAATTA	67.41261	-ATTAATTA-	
ATTTATTA	64.69030	-ATTTATTA-	
ATAATATA	62.28613	--TATATTAT	
ATTAAATA	61.66012	TATTTAAT--	
TTAATAAA	59.52545	--TTTATTAA	
ATATTAAA	59.18758	--TTTAATAT	
AATTAAT	58.04923	-ATTTAATT-	
AAATATTA	57.92143	-AAATATTA-	



Top scoring motifs for Assay 13772

Protein ID: pTH14330.2 Gene: TCF20.DBD Domain: Unknown Flag: Pass_matched_pair Array: 1M-HK

8 mer E-scores for probeset 'all'

Forward:	Reverse:	
		
Top 10	Scores	Alignment
AATTAATT	0.49534	-AATTAATT--
AATAAATT	0.49339	-AATAAATT--
AATTAAAT	0.49098	-AATTAAAT--
ATTAATTC	0.49001	GAATTAAT---
AATAATAA	0.48938	--AATAATAA-
AATAAAAA	0.48886	-AATAAAAA--
AAATAAAT	0.48857	AAATAAAT---
AATATTAA	0.48777	---TTAATATT
ATATTAAT	0.48764	--ATTAATAT-
AATTAATA	0.48761	-AATTAATA--

8 mer Z-scores for probeset 'all'

Forward:		Reverse:	
			
Top 10	Scores	Alignment	
AATTAATT	40.01188	--AATTAATT--	
AATAAATT	34.37050	--AATAAATT--	
ATTAATTC	29.00948	-GAATTAAT---	
AATAATAA	28.61556	---AATAATAA-	
AATTAATA	27.01651	--AATTAATA-	
ATTTATTC	26.81169	-GAATTAAT---	
ATATTAAT	26.00161	---ATTAATAT-	
TTAATTAA	25.70398	TTAATTAA----	
ATTAAATC	25.60631	-GATTTAAT---	
AATATTAA	24.49242	----TTAATATT	