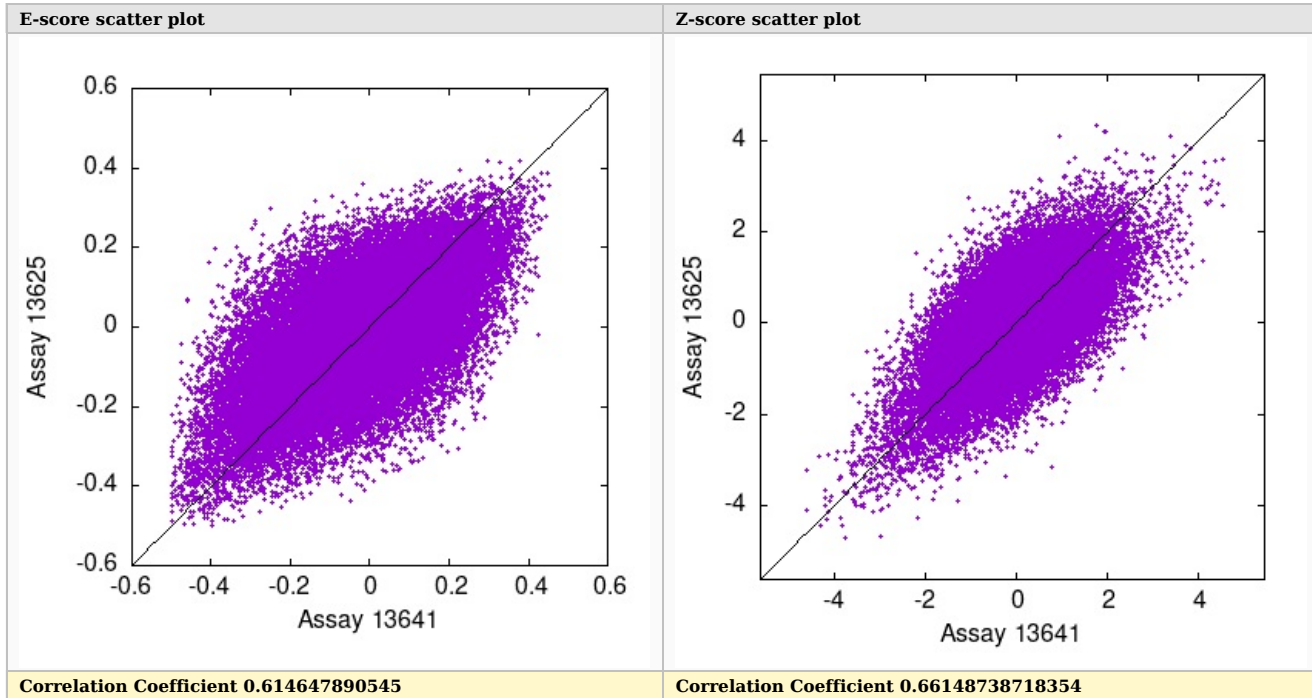


QC report



Top scoring motifs for Assay 13641

Protein ID: pTH13918.2 Gene: GLYR1.FL Domain: AT_hook Flag: Passed Array: 1M-HK

8 mer E-scores for probeset 'all'			8 mer Z-scores for probeset 'all'		
Forward:	Reverse:		Forward:	Reverse:	
Top 10	Scores	Alignment	Top 10	Scores	Alignment
ATTTAAAT	0.45180	--ATTTAAAT--	AATAAATA	4.51620	-AATAAATA--
AATTAATT	0.44864	--AATTAATT--	ATTTAAAT	4.51214	ATTTAAAT--
GAAATTC	0.44518	-----GAAATTC	ATAATTAA	4.43229	--ATAATTAA--
AAAATATT	0.43858	---AAAATATT---	AATATTAA	4.37351	---TTAATATT
ATAATTAA	0.43666	ATAATTAA-----	AATTAATT	4.34371	-AATTAATT--
AATAAATA	0.43273	---AATAAATA--	AATTAAT	4.29523	AATTAAT--
AATATTAA	0.43244	AATATTAA-----	GAAATTC	4.25077	--GAAATTC
AATTTAAT	0.43229	---AATTTAAT--	AAAATATT	4.24975	-AAAATATT--
AATTAAT	0.43197	--AATTAAT---	AAAATAT	4.17982	--AAAATAT-
AAAATTAA	0.43180	AAAATTAA-----	ATATTTTC	4.17522	--GAAATAT-

Top scoring motifs for Assay 13625

Protein ID: pTH13918.1 Gene: GLYR1.FL Domain: AT_hook Flag: Reject Array: 1M-ME

8 mer E-scores for probeset 'all'			8 mer Z-scores for probeset 'all'		
Forward:	Reverse:		Forward:	Reverse:	
Top 10	Scores	Alignment	Top 10	Scores	Alignment
AAAATTTT	0.41894	---AAAATTTT--	ATAATATA	4.31483	---ATAATATA--
ATAATATA	0.41626	---ATAATATA--	ACAACAAT	4.18265	ACAACAAT-----
ATAATTTA	0.41398	---ATAATTTA--	ATAATTTA	4.18217	---ATAATTTA--
ATATTTAA	0.39764	---ATATTTAA--	AAAATTTT	4.08283	---AAAATTTT--
ACAACAAT	0.39352	ACAACAAT-----	CAATTGCG	4.07666	-----CAATTGCG--
AATTAATT	0.38676	-----AATTAATT	AATTATTA	3.88481	-TAATAATT-----
AAAATTAA	0.38675	---AAAATTAA--	AATAATTA	3.81365	--AATAATTA----
ATTATTTA	0.38281	---ATTATTTA--	GCATAAAA	3.77522	-----TTTTATGC
ATAATGTC	0.38012	---GCATTTAT-	ATAATGTC	3.72014	----GCATTTAT--
AAATTTGT	0.37678	-----AAATTTGT-	AAATTTAA	3.70180	-----AAATTTAA--