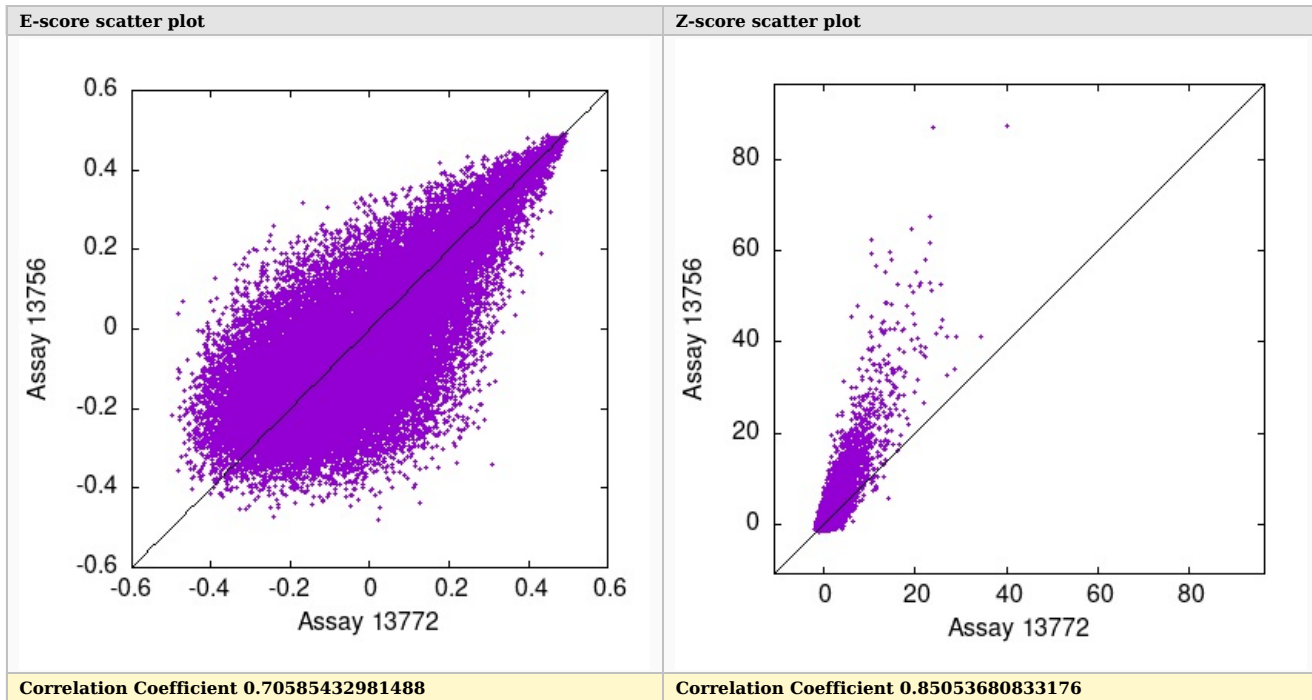


QC report



Top scoring motifs for Assay 13772

Protein ID: pTH14330.2 Gene: TCF20.DBD Domain: Unknown Flag: Pass_matched_pair Array: 1M-HK

| 8 mer E-scores for probeset 'all' | | | 8 mer Z-scores for probeset 'all' | | |
|-----------------------------------|---------|--------------|-----------------------------------|----------|---------------|
| Forward: | | Reverse: | Forward: | | Reverse: |
| | | | | | |
| Top 10 | Scores | Alignment | Top 10 | Scores | Alignment |
| AATTAATT | 0.49534 | -AATTAATT-- | AATTAATT | 40.01188 | --AATTAATT-- |
| AATAAATT | 0.49339 | -AATAAATT-- | AATAAATT | 34.37050 | --AATAAATT-- |
| AATTAATC | 0.49098 | -AATTAATC-- | ATTAATTC | 29.00948 | -GAATTAAT-- |
| ATTAATTC | 0.49001 | GAATTAAT-- | AATAATAA | 28.61556 | ---AATAATA-- |
| AATAATAA | 0.48938 | --AATAATAA-- | AATTAATA | 27.01651 | --AATTAATA-- |
| AATAAAAA | 0.48886 | -AATAAAAA-- | ATTTATTC | 26.81169 | -GAATAAAT-- |
| AAATAAAT | 0.48857 | AAATAAAT-- | ATATTAAT | 26.00161 | ---ATTAATAT-- |
| AATATTAA | 0.48777 | ---TTAATATT | TTAATTAA | 25.70398 | TTAATTAA---- |
| ATATTAAT | 0.48764 | --ATTAATAT-- | ATTAAATC | 25.60631 | -GATTTAAT-- |
| AATTAATA | 0.48761 | -AATTAATA-- | AATATTAA | 24.49242 | ----TTAATATT |

Top scoring motifs for Assay 13756

Protein ID: pTH14330.1 Gene: TCF20.DBD Domain: Unknown Flag: Pass_matched_pair Array: 1M-ME

| 8 mer E-scores for probeset 'all' | | | 8 mer Z-scores for probeset 'all' | | |
|-----------------------------------|---------|-------------|-----------------------------------|----------|-------------|
| Forward: | | Reverse: | Forward: | | Reverse: |
| | | | | | |
| Top 10 | Scores | Alignment | Top 10 | Scores | Alignment |
| AATTAATT | 0.49249 | AATTAATT-- | AATTAATT | 87.48649 | AATTAATT-- |
| AATATATT | 0.49068 | AATATATT-- | AATATATT | 86.81591 | AATATATT-- |
| ATAATATA | 0.48590 | --TATATTAT | ATTAATTA | 67.41261 | -ATTAATTA-- |
| AATAAATA | 0.48546 | TATTTATT-- | ATTTATTA | 64.69030 | -ATTTATTA-- |
| AATTAATC | 0.48527 | -ATTTAATT-- | ATAATATA | 62.28613 | --TATATTAT |
| ATTAATTA | 0.48509 | -ATTAATTA-- | ATTAAATA | 61.66012 | TATTTAAT-- |
| AATTTAAT | 0.48496 | AATTTAAT-- | TTAATAAA | 59.52545 | --TTTATTAA |
| ATATTATA | 0.48315 | --TATAATAT | ATATTAAA | 59.18758 | --TTTAATAT |
| AAATATTA | 0.48274 | -AAATATTA-- | AAATTAAT | 58.04923 | -ATTTAATT-- |
| ATTTATTA | 0.48218 | -ATTTATTA-- | AAATATTA | 57.92143 | -AAATATTA-- |