





## QC report

Top scoring motifs for Assay 13934

Protein ID: pTH14213.2 Gene: TIGD4.FL Domain: CENP-B\_N Flag: Reject Array: 1M-HK

8 mer E-scores for probeset 'all'			8 mer Z-scores for probeset 'all'		
Forward:		Reverse:	Forward:		Reverse:
					
Top 10	Scores	Alignment	Top 10	Scores	Alignment
CCCCGTTA	0.40664	---TAACGGGG---	ATATCACA	6.68570	-ATATCACA-
AATAAATT	0.40492	---AATTTATT--	AATATTAA	6.22364	AATATTAA--
ATAATAGA	0.40072	--ATAATAGA----	ATATTAAAG	6.13281	-ATATTAAAG-
AATATATT	0.39000	---AATATATT--	AATAAATT	6.06329	AATAAATT--
GATATGTA	0.38937	--GATATGTA----	TGTTAACA	5.80827	--TGTTAACA-
TATTATCA	0.38917	TGATAATA-----	TATAACGA	5.61617	TATAACGA--
TGTTAACA	0.38711	-----TGTTAACA	CTATTATC	5.31310	-CTATTATC-
AAACGTTT	0.38559	---AAACGTTT---	AATAATAA	5.28370	AATAATAA--
AGAATTCT	0.38548	--AGAATTCT----	CCTGTTAA	5.10360	CCTGTTAA--
ATAATGTA	0.38055	--ATAATGTA----	AGTAATTA	4.99762	AGTAATTA--