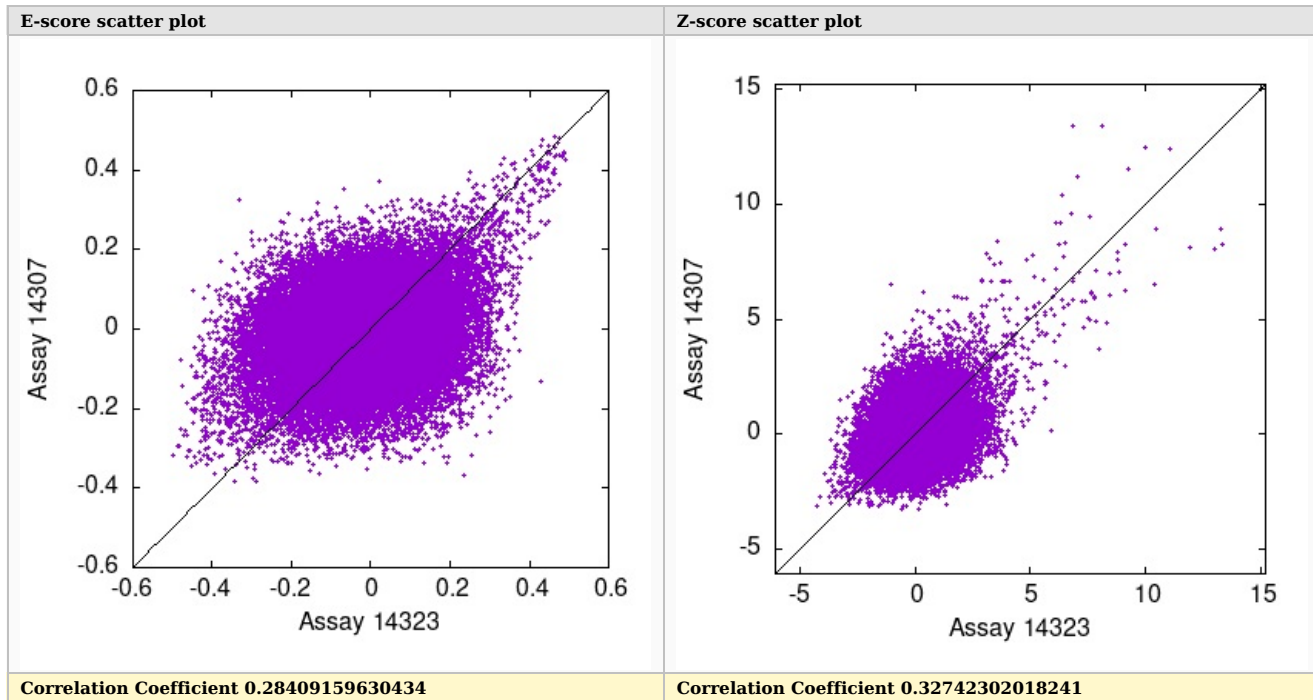


## QC report



## Top scoring motifs for Assay 14323

Protein ID: pTH14243.4 Gene: LEUTX.FL Domain: Homeobox Flag: Pass\_matched\_pair Array: 1M-HK

8 mer E-scores for probeset 'all'			8 mer Z-scores for probeset 'all'		
Forward:		Reverse:	Forward:		Reverse:
Top 10	Scores	Alignment	Top 10	Scores	Alignment
TGGATTAA	0.49042	--TTAATCCA	TGGATTAA	13.32906	-TGGATTAA-
ATTAATCC	0.48696	-ATTAATCC-	ATTAATCC	13.24625	--GGATTAA-
GGATTAAA	0.48602	-TTAATCC-	GGATTAAA	13.02418	--GGATTAAA
CGGATTAA	0.48175	--TTAATCCG	CGGATTAA	11.92880	-CGGATTAA-
GATAATCC	0.47733	-GATAATCC-	GATAATCC	11.04751	--GGATTATC
AGGATTAT	0.47642	--ATAATCCT	AGGATTAA	10.45232	-AGGATTAA-
AGGATTAA	0.47564	--TTAATCCT	AGGATTAT	10.37830	-AGGATTAT-
GGATTAAAC	0.47341	-GTAAATCC-	GGATTAAAC	9.96320	--GGATTAAAC
ACTAATCC	0.46605	-ACTAATCC-	GCGGATTA	9.27739	GCGGATTA--
ATTTAATC	0.46598	ATTTAATC--	AAGGATTA	9.11641	AAGGATTA--

## Top scoring motifs for Assay 14307

Protein ID: pTH14243.3 Gene: LEUTX.FL Domain: Homeobox Flag: Pass\_matched\_pair Array: 1M-ME

8 mer E-scores for probeset 'all'			8 mer Z-scores for probeset 'all'		
Forward:		Reverse:	Forward:		Reverse:
Top 10	Scores	Alignment	Top 10	Scores	Alignment
GGGATTAA	0.48284	-GGGATTAA-	GGGGATTA	13.42688	GGGGATTA--
GATAATCC	0.47970	--GGATTATC	GGGATTAA	13.38667	-GGGATTAA-
GGGGATTA	0.47468	GGGGATTA--	GGATTAAAC	12.43916	--GGATTAAAC
GGATTAAAC	0.46847	--GGATTAAAC	GATAATCC	12.35876	--GGATTATC
AGGATTAG	0.46126	-AGGATTAG-	GCGGATTA	11.51239	GCGGATTA--
ATAATCCC	0.46071	-GGGATTAT-	ATAATCCC	11.20117	-GGGATTAT-
GCGGATTA	0.45568	GCGGATTA--	AGGATTAG	10.38565	-AGGATTAG-
GCTAATCC	0.44994	--GGATTAGC	CGGGATTA	9.57061	CGGGATTA--
TAATCCTA	0.44613	TAGGATTA--	CTTAATCC	9.43718	--GGATTAAAG
ATTAATCC	0.44537	--GGATTAAT	GCTAATCC	9.16636	--GGATTAGC