





QC report

Top scoring motifs for Assay 14437

Protein ID: pTH14211.4 Gene: TIGD3.FL Domain: CENP-B_N Flag: Reject Array: 1M-ME

8 mer E-scores for probeset 'all'			8 mer Z-scores for probeset 'all'		
Forward:		Reverse:	Forward:		Reverse:
					
Top 10	Scores	Alignment	Top 10	Scores	Alignment
TAAATTTA	0.44603	TAAATTTA--	TAAATTTA	4.62153	-TAAATTTA--
TAATATAA	0.43095	TAATATAA--	TAATATAA	4.55066	-TAATATAA--
TTTTAAAA	0.41195	TTTTAAAA--	TTTTAAAA	4.49289	-TTTTAAAA--
AACATGTT	0.40835	-AACATGTT-	AACATGTT	4.30259	--AACATGTT-
AAACATGT	0.40595	AAACATGT--	AATATAAC	3.96000	--AATATAAC-
AAATTTAA	0.40449	AAATTTAA--	AAACATGT	3.87828	-AAACATGT--
AATTGTTA	0.40098	AATTGTTA--	TGTTTCGAA	3.79367	-TGTTTCGAA--
AATATAAC	0.39968	-AATATAAC-	TATATTAA	3.58481	TTAATATA--
TGTTTCGAA	0.39474	TGTTTCGAA--	ATATAACA	3.46185	---ATATAACA
ATATAACA	0.39170	--ATATAACA	TAATAAGA	3.41932	-TAATAAGA--