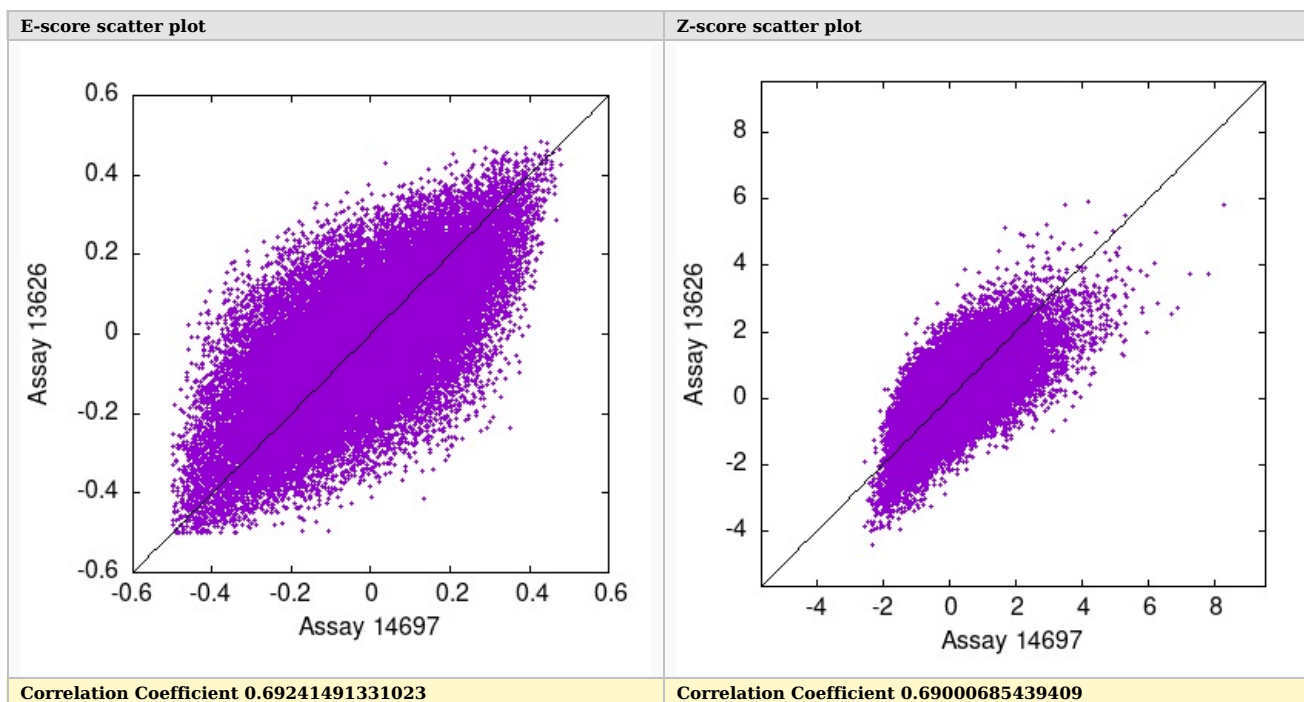


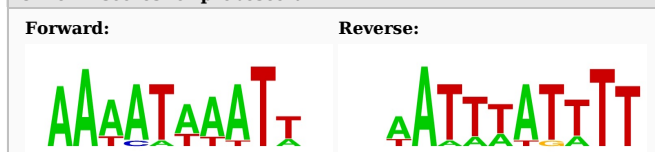
## QC report



## Top scoring motifs for Assay 14697

Protein ID: pTH13919.4 Gene: GLYR1.DBD Domain: AT\_hook Flag: Pass\_matched\_pair Array: 1M-HK

## 8 mer E-scores for probeset 'all'



Top 10	Scores	Alignment
AATAAATT	0.47966	--AATAAATT--
AATATATT	0.47744	--AATATATT--
ACAAAATA	0.46651	--ACAAAATA--
AATATTAA	0.46531	AATATTAA---
ATAAATTA	0.46460	---ATAAATTA
AAAATTAA	0.46227	AAAATTAA---
AAATAAAT	0.46153	--AAATAAAT--
ATATTAAT	0.45767	-ATATTAAT--
AAAATAAA	0.45670	AAAATAAA---
AAATATTT	0.45578	-AAATATTT--

## 8 mer Z-scores for probeset 'all'

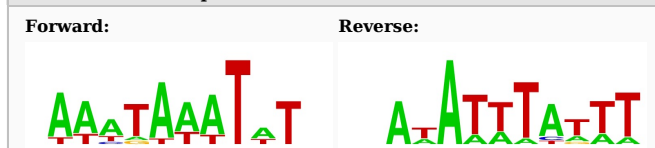


Top 10	Scores	Alignment
AATATATT	8.26500	--AATATATT--
AATAAATT	7.80140	---AATAAATT
AAAATTAA	7.27601	-AAAATTAA--
AATTTAAA	6.86334	--AATTTAAA--
AATATTAA	6.67980	-AATATTAA--
ATATTAAT	6.28896	--ATATTAAT--
AAATAAAT	6.17234	---AAATAAAT
AAATTAAT	5.95404	--AAATTAAT--
ACAAAATA	5.93722	ACAAAATA---
ATAAATTA	5.80870	ATAAATTA---

## Top scoring motifs for Assay 13626

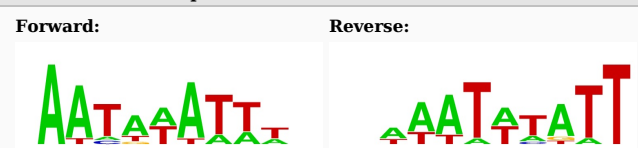
Protein ID: pTH13919.1 Gene: GLYR1.DBD Domain: AT\_hook Flag: Pass\_matched\_pair Array: 1M-ME

## 8 mer E-scores for probeset 'all'



Top 10	Scores	Alignment
ATTTAAAT	0.48199	ATTTAAAT---
AATTAATT	0.48119	AATTAATT---
ATATATTA	0.46896	TAATATAT---
ATATATAT	0.46791	ATATATAT---
AATATATT	0.46550	--AATATATT--
ATAAATAT	0.46146	---ATAAATAT
AAAATAAT	0.46119	AAAATAAT---
AACGAATT	0.46104	AACGAATT---
AATATTTA	0.45701	---TAAATATT
AAATAAAT	0.45661	AAATAAAT---

## 8 mer Z-scores for probeset 'all'



Top 10	Scores	Alignment
ATTTAAAT	5.90596	ATTTAAAT--
AATATATT	5.82386	AATATATT--
ATATATTA	5.82386	-ATATATTA-
AATTAATT	5.51849	AATTAATT--
AATATTTA	5.23363	AATATTTA--
AACGAATT	5.14920	AACGAATT--
AAAATAAT	5.02124	AAAATAAT--
AATAAATA	4.98625	AATAAATA--
ATATATAT	4.96139	-ATATATAT-
TAAATTTA	4.94597	--TAAATTTA